

水产渔业科学

海南沼虾ITS-1序列分析姚建华¹, 傅洪拓^{1,2}, 龚永生², 吴 滢²

中国水产科学研究院淡水渔业研究中心

收稿日期 2009-3-31 **修回日期** 2009-4-9 **网络版发布日期** 2009-7-5 **接受日期** 2009-6-24

摘要 为了解海南沼虾遗传方面的信息, 本文利用ITS-1分子标记技术对珠江海南沼虾群体作了研究。研究结果表明:①其ITS-1片段在1700bp~1800bp之间, 较日本沼虾短; ②其碱基含量变化范围为: 27%~30% (A)、27%~31% (G)、14~16% (C)、43%~46% (G+ C); ③在海南沼虾ITS-1序列中, 包含着非常丰富的SSR序列信息, 具体为(AG)_n、(GA)_n、(AGT)_n、(AGC)_n、(GCA)_n等重复, 在个体中出现的比例分别为100%、100%、25%、12.5%、12.5%。同时(AG)_n、(GA)_n重复出现了较高多态性; ④BLAST比对结果表明, 海南沼虾同日本沼虾和刀额新对虾都有较高的同源性。本研究结果在一定程度上填补了海南沼虾ITS-1方面研究的空白, 同时也为海南沼虾后续研究提供了理论参考。

关键词 [海南沼虾](#) [ITS-1](#) [SSR](#) [微卫星](#)**分类号****DOI:****通讯作者:**姚建华 wuxifish@163.com**作者个人主页:**姚建华¹;傅洪拓^{1;2};龚永生²;吴 滢²**扩展功能****本文信息**

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(558KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)

参考文献**服务与反馈**

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“海南沼虾”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [姚建华](#)
 - [傅洪拓](#)
 - [龚永生](#)
 - [吴 滢](#)