

【作者】	杨东, 刘红艳, 张繁荣, 余来宁
【单位】	江汉大学生命科学学院, 湖北武汉
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	27
【发表页码】	11669 - 11670 , 11694
【关键字】	尼罗罗非鱼;DMRT 蛋白;B 细胞表位; 二级结构
【摘要】	<p>[目的] 预测尼罗罗非鱼DMRT 蛋白B 细胞表位。[方法] 以尼罗罗非鱼Dmrt 基因序列为基础, 按Garnier- Robson 法, Chou- Fasman 法和Karplus - Schulz 法预测其编码蛋白的二级结构; 用Kyte- Doolittle 法, Emini 法及Jameso - Wolf 法分别预测B 细胞表位。[结果] Garnier - Robson 法和Chou - Fasman 法的预测结果均表明, 在尼罗罗非鱼DMRT 蛋白分子N 端第31 ~56 、 68 ~75 、 110 ~116 、 209 ~211 区段和第239 ~243 区段可能是α螺旋中心; 蛋白N 端第95 ~99 、 177 ~183 、 225 ~234 区段和第251 ~254 区段可能是β折叠中心; 按Kyte- Doolittle 的亲水性方案、Emini 方案和Jameson- Wolf 抗原指数方案, 辅以对DMRT 蛋白的二级结构中的柔性区域的分析, 预测DMRT 蛋白的B 细胞表位, DMRT 蛋白N 端第13 ~16 、 35 ~38 、 47 ~54 , 84 ~93 、 101 ~109 、 127 ~156 、 166 ~177 区段和第198 ~201 区段附近很可能为B 细胞表位优势区域。[结论] 该研究结果为DMRT 蛋白克隆抗体的制备及探索尼罗罗非鱼性别调控机理提供了参考资料。</p>
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭