

【作者】	郁二蒙, 叶星, 白俊杰, 简清, 劳海华
【单位】	中国水产科学研究院珠江水产研究所, 广东广州
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	23
【发表页码】	9914-9917
【关键字】	唐鱼; 生长激素; cDNA; 克隆; 序列分析
【摘要】	<p>[目的] 为开展唐鱼转自源基因研究提供基本构架。[方法] 采用RT-PCR和RACE技术分离唐鱼生长激素基因(GH)全长cDNA序列, 同时利用PCR克隆了唐鱼生长激素基因的基因组(gDNA)序列。[结果] 序列分析表明: 唐鱼GH cDNA的5'非编码区为64 bp, 3'非编码区为448 bp, 开放阅读框(ORF) 633 bp, 共编码210个氨基酸, 包括22个氨基酸的信号肽和188个氨基酸的成熟肽。应用MEGA 3.1软件进行序列同源性比较分析的结果显示, 唐鱼GH cDNA所编码的氨基酸序列与近缘鱼种(草鱼、青鱼、鳊鱼、鲤鱼、斑马鱼等)的生长激素氨基酸序列有很高的同源性, 其中与草鱼和鳊鱼的同源性高达98%。该研究获得的唐鱼生长激素基因的gDNA序列共有1403 bp, 包括4个外显子和3个内含子, 外显子大小分别150、117、162、204 bp; 3个内含子都以GT开头、AG结尾, 符合GT-AG法则。[结论] 该研究为下一步构建自源GH基因构件, 进行唐鱼的转自源GH基因研究, 培育出生长快、体型大的唐鱼新品系奠定了基础。</p>
【附件】	 PDF下载 <input type="button" value="PDF阅读器下载"/>

关闭