

<b>【作者】</b>	杨东, 刘红艳, 张繁荣, 余来宁
<b>【单位】</b>	江汉大学生命科学学院, 湖北武汉
<b>【卷号】</b>	36
<b>【发表年份】</b>	2008
<b>【发表刊期】</b>	15
<b>【发表页码】</b>	6194 - 6195 , 6222
<b>【关键字】</b>	尼罗罗非鱼; Dmrt1 ;RACE
<b>【摘要】</b>	<p>[ 目的] 为研究Dmrt 基因的进化、尼罗罗非鱼性别决定机制和功能提供资料。[ 方法] 以尼罗罗非鱼精巢cDNA 为模板, 采用简并 PCR 扩增和克隆其Dmrt 保守区域, 并采用3' RACE 反应获得Dmrt1 基因全序列。[ 结果] 尼罗罗非鱼中Dmrt 保守区域长度为158 bp 。尼罗罗非鱼Dmrt1 基因的DM-domain 与奥利亚罗非鱼、虹鳟、青鱼将、新月鱼、人、小鼠中Dmrt1 基因的DM-domain 和尼罗罗非鱼、奥利亚罗非鱼中DMO 基因的DM-domain 的核苷酸同源性分别为98 .6% 、87 .9 % 、81 .4% 、82 .1% 、77 .9 % 、77 .1% 、72 .1 % 、72 .1% , 氨基酸同源性为100 .0% 、97 .8 % 、87 .0% 、87 .0% 、89 .1 % 、89 .1% 、84 .8 % 和84 .8 % 。通过3' RACE 反应, 获得1 108 bp Dmrt1 的3' 端序列。尼罗罗非鱼Dmrt1 与奥利亚罗非鱼、虹鳟、青鱼将、新月鱼的氨基酸序列同源性分别为99 .0% 、62 .0 % 、41 .0% 和73 .0% 。[ 结论] Dmrt1 基因具有高度保守性。</p>
<b>【附件】</b>	 PDF下载 <a href="#">PDF阅读器下载</a>

关闭