


【作者】	常凯军, 谭德冠, 李定琴, 孙雪飘, 张家明
【单位】	中国热带农业科学院热带生物技术研究所, 农业部热带作物生物技术重点开放实验室, 海南海口
【卷号】	37
【发表年份】	2009
【发表刊期】	27
【发表页码】	12965-12967
【关键字】	18S核编码核糖体RNA; 16S叶绿体编码核糖体RNA; I类内含子; 双发夹结构
【摘要】	<p>[目的] 对海南橡胶藻的新属、新种地位进行确认。[方法] 对海南橡胶藻这一重要生物资源的18S核编码核糖体RNA序列和16S叶绿体编码核糖体RNA进行分析, 对18S核编码核糖体RNA进行近缘物种间的序列比对及2个I类内含子二级结构模型的构建。[结果] 橡胶藻16S rDNA在639位点(E. coli序列编号)有一个46bp的插入片段, 该片段能形成一个完美的双发夹结构, 对16S rDNA的正常折叠不会产生影响。[结论] 这一双发夹结构在其他物种的叶绿体rDNA中还未见报道过。</p>
【附件】	 PDF下载 <input type="button" value="PDF阅读器下载"/>

关闭