

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 基于16S rRNA和ND1基因序列的中国蚌科丽蚌属的系统发育

作者: 周春花 欧阳珊 吴小平 黎敏
南昌大学生命科学学院

摘要: 本文根据线粒体DNA16S rRNA基因和ND1基因的部分核苷酸序列构建了中国蚌科丽蚌属的分子系统发育。用距离矩阵邻接法和最大简约法构建了分子系统树, 得到了相同的拓扑结构。结果显示: 丽蚌属形成两个明显的类群, 第一个类群包括失衡丽蚌(*Lamprotula tortuosa*)、刻裂丽蚌(*L.scripta*)、天津丽蚌(*L.tientsinensis*)、绢丝丽蚌(*L.fibrosa*)、环带丽蚌(*L.zonata*), 第二个类群包括背瘤丽蚌(*L.leai*)、洞穴丽蚌(*L.caveata*)、角月丽蚌(*L.cornuum-lunae*)、猪耳丽蚌(*L.rochechouarti*)。前者构成尖丽蚌属, 后者仍为丽蚌属。与蚌科其它属的代表种比较分析表明: 尖丽蚌属和珠蚌亚科的种类形成一支, 丽蚌属和缓行蚌亚科的种类形成一支, 无齿蚌属和冠蚌属形成一支。由此可见, 尖丽蚌属属于珠蚌亚科, 丽蚌属属于缓行蚌亚科。珠蚌亚科和缓行蚌亚科形成姐妹群, 而无齿蚌亚科是珠蚌亚科+缓行蚌亚科的姐妹群。将北美缓行蚌亚科方蚌属7个种的序列加入进行比较, 得出丽蚌属和北美的方蚌属都是比较古老的类群, 它们的亲缘关系很近, 可能来自共同的祖先 [动物学报53(6): 1024 - 1030, 2007]。

关键词: 蚌科 丽蚌属 16S rRNA ND1 分子系统学

通讯作者: 吴小平 (E-mail: xpwu@ncu.edu.cn).

这篇文章摘要已经被浏览 619 次, 全文被下载 87 次。

[下载PDF文件 \(994302 字节\)](#)

您是第: **353747** 位访问者

《昆虫学报》编辑部
地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所
邮 编: 100080
电 话: 010-82872092
传 真: 010-62569682
E-mail: kxcb@ioz.ac.cn
网 址: <http://www.insect.org.cn>