



长江中下游5个湖泊黄颡鱼 (*Pelteobagrus fulviventris*) 种群线粒体细胞色素b基因的遗传变异分析 全文
PDF下载

钟立强¹, 刘朋朋², 潘建林^{1, 2}, 王明华¹, 陈友明¹, 秦钦¹, 边文冀¹, 陈校辉¹
(1: 江苏省淡水水产研究所, 南京 210017)
(2: 南京师范大学生命科学学院, 南京 210097)

摘要: 对长江中下游5个湖泊的黄颡鱼种群的线粒体DNA细胞色素b基因进行了PCR扩增、测序, 获得了955bp的序列. 分析显示, *cyt-b*序列中A+T含量略高于G+C含量, 共检测到54个变异位点, 60个样本得到37个单倍型, 平均单倍型多样性为 0.945 ± 0.018 , 核苷酸多样性为 0.00419 ± 0.00043 , 遗传多样性表现中等. 太湖种群与涪湖种群间的遗传距离最远为0.00651, 鄱阳湖种群和巢湖种群之间遗传距离最近为0.00375. 分子方差分析 (AMOVA) 表明, 群体间遗传分化系数 F_{st} 为0.0684, 几乎所有变异都来自群体内, 群体间遗传分化极小. *cyt-b*序列构建UPGMA系统进化树显示, 5个种群没有分化成不同的分枝谱系, 种群间存在广泛的基因交流.

关键词: 黄颡鱼; 线粒体DNA; 细胞色素b基因; 遗传变异; 长江中下游

最新动态

各期目录

投稿指南

分类下载

论文检索

有问必答

相关链接

中国科学院南京地理与湖泊研究所

中国海洋湖沼学会

万方数据

中国期刊网

重庆维普