

【作者】	易春华, 潘杰, 付薇, 颜健华, 徐贤坤, 熊毅
【单位】	广西大学动物科学技术学院, 广西南宁
【卷号】	37
【发表年份】	2009
【发表刊期】	25
【发表页码】	11900-11902
【关键字】	鹅副粘病毒; HN 蛋白基因; F 蛋白基因; 克隆; 序列分析
【摘要】	<p>[目的] 克隆鹅副粘病毒GX1株 HN基因与F 基因, 并进行序列分析。 [方法] 根据Genbank已发表的鹅副粘病毒GPV SF02株基因组核苷酸序列设计2对引物, 对从广西发病鹅分离到的鹅副粘病毒GX1株的 HN和F 基因进行PCR扩增, 将扩增产物与pMD18 T载体连接并测序。[结果] 该株副粘病毒株的 HN基因和F 基因核苷酸序列全长分别为1 716和1 662 bp, 与GPV SF02株的同源性均在97.3%左右, 与LaSota株、F48E9株、JS株的同源性为80.3%~97.5%, 与Miyadera株的同源性仅84.8%。[结论] 分离株GX1株与禽 I 型副粘病毒 (A PMV 1) 强毒株特征相符, 属于 A PMV 1 基因 VII 型。</p>
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭