

预防兽医

## 猪源和鼠源脑心肌炎病毒分离株基因组的比较分析

赵婷, 张家龙, 盖新娜, 郭鑫, 周磊, 陈艳红, 查振林, 杨汉春\*

中国农业大学动物医学院, 农业部人畜共患病重点开放实验室, 北京 100193

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 为了分析猪源和鼠源脑心肌炎病毒(EMCV)基因组的差异,对分离自同一猪场猪临床样本和鼠组织样本的2株病毒(GX0601和GX0602)进行了全基因组序列测定和比较分析。结果显示,2个分离毒株的基因组全长(包含poly A)分别为7 729和7 725 nt,核苷酸和氨基酸同源性均在99.8%以上。与国外毒株及国内已报道的分离株的序列比较结果表明,2个毒株与BJC3和HB1的核苷酸同源性为98.18%~99.41%,推导的氨基酸序列同源性为99.5%~99.7%,与国外分离株的核苷酸序列和氨基酸序列的同源性分别介于80.53%~99.57%和93.1%~99.5%。基于基因组开放阅读框推导的氨基酸序列的系统进化分析表明,我国分离毒株与国外毒株PEC9、CBNU、BEL 2887A/91和EMCV R的同源性较高,位于同一个亚群。研究结果提示,猪源与鼠源毒株的基因组具有很高的同源性,鼠是猪场EMCV感染的传染来源。

**关键词** [脑心肌炎病毒](#); [猪源和鼠源毒株](#); [基因组](#); [序列测定](#); [进化分析](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

杨汉春 [yanghanchun1@cau.edu.cn](mailto:yanghanchun1@cau.edu.cn)

作者个人主页: [赵婷](#); [张家龙](#); [盖新娜](#); [郭鑫](#); [周磊](#); [陈艳红](#); [查振林](#); [杨汉春\\*](#)

### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(432KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“脑心肌炎病毒;猪源和鼠源毒株;基因组;序列测定;进化分析”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [赵婷](#)
- [张家龙](#)
- [盖新娜](#)
- [郭鑫](#)
- [周磊](#)
- [陈艳红](#)
- [查振林](#)
- [杨汉春](#)