

基础兽医

猪源致病性沙门氏菌耐药基因的分析

马孟根, 王红宁, 余 勇, 李成忠, 张 东, 羊云飞, 刘世贵

1. 四川大学生命科学学院, 成都 610064; 2. 四川农业大学动物科技学院, 雅安 625014;
3. 四川省动物防疫监督总站, 成都 610041

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 采用平板稀释法, 选用氨基糖苷类、四环素类、磺胺类和氯霉素类4大类抗生素的11种药物, 对30株猪源致病性沙门氏菌进行了药敏试验, 结果有28株菌(93.3%)至少对一种药物有耐药性; 对四环素、强力霉素、磺胺甲基异口恶唑、复方新诺明、链霉素、卡那霉素和氯霉素有耐药性的菌株较普遍, 在所有菌株中占比例分别为83.3%、80%、80%、76.7%、60%、56.7%和56.7%。设计了25对引物, 对耐药基因进行了扩增及序列测定, 结果扩增到13种耐药基因, 与GenBank中的相应基因有很高的同源性(≥98.1%)。30株猪源致病性沙门氏菌中至少含有一种耐药基因的菌株有28株(93.3%), *sul I*、*aph(3')-IIa*、*tetC*、*Cat1*、*tetA*和*aadA1*耐药基因较为普遍, 检出率分别为76.7%、60%、60%、43.3%、40%和36.7%。药敏试验结果与耐药基因检测结果有很高的一致性(≥88%)。

关键词 [沙门氏菌](#); [耐药基因](#); [检测](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 马孟根; 王红宁; 余 勇; 李成忠; 张 东; 羊云飞; 刘世贵

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(995KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“沙门氏菌; 耐药基因; 检测”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [马孟根](#)

· [王红宁](#)

· [余 勇](#)

· [李成忠](#)

· [张 东](#)

· [羊云飞](#)

· [刘世贵](#)