

预防兽医

猪流行性腹泻病毒S蛋白受体结合域的分析

孙东波^{1, 2}, 陈建飞¹, 时洪艳¹, 申识川¹, 吕茂杰¹, 范秀萍¹, 陈洪岩¹, 冯力^{1*}

1. 中国农业科学院哈尔滨兽医研究所 兽医生物技术国家重点实验室/猪传染病研究室, 哈尔滨 150001; 2. 黑龙江八一农垦大学 动物科技学院, 大庆 163319

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 以猪流行性腹泻病毒 (PEDV) 可溶性的猪氨基肽酶N受体为靶蛋白对PEDV S1基因特异性肽库进行3轮生物淘选, 然后对30个淘选的噬菌体克隆进行测序。序列分析发现, 2个噬菌体克隆展示无义氨基酸序列, 其余28个噬菌体克隆展示的氨基酸序列位于PEDV S蛋白的第249-529位氨基酸区域, 这个区域被命名为MRR。利用Bac-to-Bac杆状病毒表达系统对MRR基因进行真核表达。Western blot结果表明, 表达的MRR重组蛋白能够与兔抗PEDV多克隆抗体反应。

关键词 [猪流行性腹泻病毒](#); [S蛋白](#); [受体结合域](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

冯力 fl@hvri.ac.cn

作者个人主页: [孙东波^{1, 2}](#); [陈建飞¹](#); [时洪艳¹](#); [申识川¹](#); [吕茂杰¹](#); [范秀萍¹](#); [陈洪岩¹](#); [冯力^{1*}](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (814KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“猪流行性腹泻病毒; S蛋白; 受体结合域”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

• [孙东波](#)

•

• [陈建飞](#)

• [时洪艳](#)

• [申识川](#)

• [吕茂杰](#)

• [范秀萍](#)

• [陈洪岩](#)

• [冯力](#)