

畜牧·兽医·资源昆虫

利用抑制消减杂交技术筛选猪蛔虫性别差异表达基因

吴绍强,邹丰才,翁亚彪,宋慧群,林瑞庆,朱兴全

华南农业大学兽医学院

收稿日期 2004-8-6 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 为了筛选线虫的性别特异性基因,为线虫乃至寄生虫的性别控制提供新的工具,本研究选择猪蛔虫(*Ascaris suum*)为模型,分别提取雌性和雄性成虫的mRNA后,采用Clontech公司的PCR-selectTM试剂盒进行反转录合成cDNA并进行抑制消减杂交(SSH),构建猪蛔虫雌、雄虫性别差异表达的消减cDNA文库,并采用地高辛(DIG)标记的cDNA探针进行Southern杂交检验所构建文库的消减效率。结果表明,雌、雄虫性别差异表达的消减cDNA文库均具有很强的性别特异性。随机从各库中各抽取25个克隆进行测序及在线BLAST分析,发现在25个雄虫ESTs中有20个已知ESTs,5个新的ESTs;25个雌虫ESTs中有11个已知ESTs,还有8个可能为新基因。猪蛔虫性别差异表达的消减cDNA文库的成功构建,为进一步研究性别特异基因的功能奠定了基础。

**关键词** [猪蛔虫](#) [抑制消减杂交](#) [性别特异性基因](#) [cDNA文库](#) [Southern blot](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

吴绍强

作者个人主页: [吴绍强](#); [邹丰才](#); [翁亚彪](#); [宋慧群](#); [林瑞庆](#); [朱兴全](#)

## 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(261KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“猪蛔虫”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [吴绍强](#)

· [邹丰才](#)

· [翁亚彪](#)

· [宋慧群](#)

· [林瑞庆](#)

· [朱兴全](#)