

兽医

临床分离鸡毒支原体粘附素蛋白编码基因pvpA的分子特征

华南农业大学兽医学院/广东省兽药研制与安全评价重点实验室

收稿日期 2007-10-14 修回日期 网络版发布日期 2008-8-10 接受日期 2008-8-25

摘要

【目的】探讨中国临床分离鸡毒支原体粘附素蛋白(PvpA)编码基因pvpA的分子特征,为进一步了解鸡毒支原体致病机制、建立新的鉴别诊断方法奠定基础。**【方法】**利用巢式PCR法对41株广东、四川和北京地区临床分离的鸡毒支原体和3株参考株的pvpA基因进行扩增并测序,分析中国临床分离株pvpA的基因变异特征。**【结果】**所有临床分离株pvpA基因分子特征与强毒株S6, BG44T一致,与疫苗株F36完全不同。临床分离株pvpA基因C-末端DR-1、DR-2区域(第670位~第1 056位)GC的含量为53.52%,明显高于鸡毒支原体的平均GC含量;所有临床分离株及S6、BG44T在DR-1和DR-2之间丢失60个碱基。推测该区域编码的氨基酸序列富含脯氨酸,高达30.27%;重复四肽Pro-Arg-Pro-X共出现10次,X为甲硫氨酸6次、甘氨酸1次、天冬酰胺1次、谷氨酰胺2次。而疫苗株F36 PvpA只有DR-1区域,与R株相比间隔25肽缺失了24个肽,DR-2区域全部丢失。**【结论】**临床分离株pvpA基因变异特征与强毒株S6一致,与疫苗株F36的变异特征有显著差异,可以把pvpA基因作为靶标以建立临床鸡毒支原体流行病学调查和诊断的新方法。

关键词 [鸡毒支原体](#) [pvpA基因](#) [粘附蛋白](#) [变异](#)

分类号

DOI:

通讯作者:
蒋红霞 hxjiang@scau.edu.cn
作者个人主页:

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDE\(412KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(OKB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“鸡毒支原体”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [陈继荣](#), [曾振灵](#), [邓碧琴](#), [阎化领](#), [李旭宁](#), [蒋红霞](#)