

无栏目

应用变性梯度凝胶电泳和16SrDNA序列分析对山羊瘤胃细菌多样性的研究

@姚文\$南京农业大学消化道微生物研究室!

@姚文\$南京农业大学消化道微生物研究室!南京210095; 瓦赫宁根农业大学微生物系; 瓦赫宁根农业大学动物系动物营养研究室, 荷兰 @朱伟云\$南京农业大学消化道微生物研究室!南京210095 @韩正康\$南京农业大学消化道微生物研究室!南京210095 @Antoon D L Akkermans\$瓦赫宁根农业大学微生物系 @Barbara Williams\$瓦赫宁根农业大学动物系动物营养研究室!荷兰 @Seerp Tamminga\$瓦赫宁根农业大学动物系动物营养研究室!荷兰

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 以取自3头安装有永久性瘤胃瘘管的土种山羊的瘤胃内容物为材料,经过DNA抽提和PCR扩增,扩增产物利用变性梯度凝胶电泳技术(DGGE,一种DNA指纹技术)分析瘤胃细菌在两种日粮条件下的多样性.同时利用基因序列分析技术,分析了16个在DGGE胶上有匹配带的克隆的16S rDNA序列,并与现有的数据库进行了比较.结果表明,饲喂基础日粮时3头山羊瘤胃内容物的DGGE图谱有一定的相似性(43%~55%);饲料中添加大豆黄酮一定程度上影响了瘤胃细菌的组成,DGGE谱带变化程度分别为 1号 36%、2号 46%

关键词 [山羊瘤胃细菌,遗传多样性,PCR,变性梯度凝胶电泳\(DGGE\),16SrDNA](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: @姚文\$南京农业大学消化道微生物研究室!

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(437KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“山羊瘤胃细菌,遗传多样性,PCR,变性梯度凝胶电泳\(DGGE\),16SrDNA”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [@姚文\\$南京农业大学消化道微生物研究室!](#)