

遗传繁育

利用微卫星DNA多态性预测引进肉用绵羊品种杂种优势

刘建斌^{1,2}, 李发弟^{1*}, 杜立新^{1,3*}, 王凡⁴

1. 甘肃农业大学动物科学技术学院, 兰州 730070; 2. 中国农业科学院兰州畜牧与兽药研究所, 兰州 730050; 3. 中国农业科学院北京畜牧兽医研究所, 北京100193; 4. 中国农业科学院兰州兽医研究所 中农威特生物科技股份有限公司, 兰州 730046

收稿日期 2009-2-23 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 旨在利用微卫星DNA在不同绵羊群体中的多态性预测引进肉用绵羊品种与地方绵羊品种的杂种优势。利用23个微卫星基因座对4个国外引进肉羊品种及3个地方绵羊品种的群体多态信息含量、有效等位基因数、杂合度和遗传距离进行遗传检测, 并测定引进肉羊与地方肉羊品种的杂交效果。结果, 23个微卫星座位在7个绵羊群体中均呈现高度多态, 共检测到348个等位基因, 平均每个座位等位基因数为15个; 多态信息含量在0.532 1~0.936 1, 有效等位基因数在2.572 8~9.345 8, 平均杂合度在0.549 2~0.936 0, 品种平均杂合度在0.714 2~0.829 5, 可以用于绵羊遗传多样性的评估。从不同品种看, 无角陶赛特的遗传变异最大, 而小尾寒羊的遗传变异相对较小; 经遗传关系分析, 在引进的4个肉羊品种中, 与小尾寒羊、蒙古羊及滩羊杂交优势由大到小依次为白萨福克、波德代、无角陶赛特、特克赛尔, 与实际杂种优势测定结果一致。利用微卫星DNA多态性预测引进肉用绵羊品种与小尾寒羊、蒙古羊及滩羊的杂种优势是可行的, 这将对今后绵羊育种具有重要的应用价值和指导意义。

关键词 [绵羊](#); [微卫星DNA](#); [遗传多态性](#); [杂种优势](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

李发弟 杜立新 lifd@gsau.edu.cn; lxdu@263.net

作者个人主页: 刘建斌^{1,2}; 李发弟^{1*}; 杜立新^{1,3*}; 王凡⁴

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(771KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“绵羊; 微卫星DNA; 遗传多态性; 杂种优势”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [刘建斌](#)

· [李发弟](#)

· [杜立新](#)

· [王凡](#)