

遗传繁育

西藏小型猪线粒体DNA控制区的分子遗传学研究

李洪涛^{1, 2}, 肖东¹, 袁进¹, 吴清洪¹, 王万山¹, 张嘉宁¹, 顾为望^{1*}

1. 南方医科大学实验动物中心, 广州 510515;

2. 广州医学院第一附属医院, 广州 510120

收稿日期 2007-7-9 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 通过扩增102头西藏小型猪以及16头巴马小型猪、17头贵州香猪的线粒体DNA控制区, 测序并与国内其他猪种进行比较, 研究西藏小型猪的遗传标记以及与其他国内地方猪种的亲缘关系。结果显示, 西藏小型猪线粒体DNA D loop区分3个区域。串联重复序列区处于中间位置, 包含有15~29个10 bp的重复片段, 分为A、B 2种类型。3' 端340 bp, 与国内其他猪种的序列相同, 比较保守; D loop 5' 端704 bp, 共有22个变异位点。由22个变异位点中归纳出25个单倍型, 其中有2种主要的单倍型, 分别占34.4%和36.6%。根据3个转换位点: 305、500、691, 将西藏小型猪分成了2组, 几乎与串联重复序列所分的A、B 2组类型相对应。与西藏小型猪相比, 巴马小型猪和贵州香猪D loop 5' 端变异位点较少, 分别只有4种和2种单倍型, 串联重复区也只有1个类型。说明西藏小型猪可能有2个母系祖先, 并且与我国西南地区的猪种有较近的亲缘关系; 不同的串联重复片段类型和5' 端的变异位点可以联合组建西藏小型猪的遗传标记。

关键词 [西藏小型猪](#); [线粒体DNA控制区](#); [遗传标记](#); [亲缘关系](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

顾为望 Guww100@163.com

作者个人主页: [李洪涛^{1,2}](#); [肖东¹](#); [袁进¹](#); [吴清洪¹](#); [王万山¹](#); [张嘉宁¹](#); [顾为望^{1*}](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(385KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“西藏小型猪: 线粒体DNA控制区; 遗传标记; 亲缘关系”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [李洪涛](#)
- [肖东](#)
- [袁进](#)
- [吴清洪](#)
- [王万山](#)
- [张嘉宁](#)
- [顾为望](#)