

遗传繁育

家畜离散性状遗传分析方法比较研究

殷宗俊¹, 张勤², 丁向东², 王春考², 周杰¹

1.安徽农业大学动物科技学院, 合肥 230036; 2.中国农业大学动物科技学院, 北京 100193

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 采用广义线性方法 (GLMM)、阈性状法 (TM) 和常规线性方法 (LM) 对不同参数组合下离散性状的遗传力及准确度进行了估计, 模拟研究的性状为单阈值二项分类性状, 试验设计为全同胞-半同胞混合家系。研究表明, 在遗传力的估计准确度方面, GLMM方法具有较大的优势, LM方法估计遗传力的效果较差, 离真值的偏差也较大; 不同参数组合下, GLMM方法的遗传力估计结果普遍高于线性方法。另外, 性状遗传力真值和性状表型发生率对估计遗传力及其准确度也有明显的影响。

关键词 [广义线性混合模型 \(GLMM\)](#); [线性模型](#); [阈模型](#); [离散性状](#); [遗传分析](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

殷宗俊 yinzongjun@ahau.edu.cn

作者个人主页: 殷宗俊¹; 张勤²; 丁向东²; 王春考²; 周杰¹

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF \(1287KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)

▶ [参考文献 \[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“广义线性混合模型 \(GLMM\); 线性模型; 阈模型; 离散性状; 遗传分析”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [殷宗俊](#)
- [张勤](#)
- [丁向东](#)
- [王春考](#)
- [周杰](#)