

【作者】	刘晓宁
【单位】	黑龙江省家畜繁育指导站, 黑龙江哈尔滨
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	13
【发表页码】	5327 - 5328
【关键字】	猪;ACSL4 基因;3' UTR 区; PCR-SSCP
【摘要】	<p>[目的] 为猪的分子育种研究提供理论依据。[方法] 采用酚-氯仿法从野猪、民猪、大白猪、长白猪、杜洛克和杂种猪的耳组织中提取基因组DNA, 根据GenBank 上猪ACSL4 基因cDNA 全序列设计3 对引物, 进行PCR-SSCP 和测序, 分析ACSL4 基因3'UTR 区的多态性。[结果] 3 对引物中, 仅K3 引物的PCR-SSCP 产物有多态性, 检测到3 种基因型(AA、BB 和AB)。在ACSL4 基因3' UTR 区3 862 bp 处发生T →C 碱基突变。仅在大白猪、长白猪, 杜洛克和杂种猪中发现多态性位点, 而在民猪和野猪中未发现。杜洛克、大白猪和杂种猪间不同基因型的分布都有极显著差异($P < 0.01$), 长白猪和大白猪各基因型的分布无显著差异($P > 0.05$)。[结论] 该研究为丰富猪种的种质特性资料库和充分利用种质资源提供了依据。</p>
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭