

## 遗传繁育

### 运用微卫星标记对中国地方绵羊品种的遗传多样性分析

吕慎金<sup>1,2</sup>, 杨燕<sup>2</sup>, 候冠玉<sup>3</sup>, 马月辉<sup>1\*</sup>, 耿社民<sup>4</sup>, 李宏滨<sup>1</sup>, 浦亚斌<sup>1</sup>

1. 中国农业科学院北京畜牧兽医研究所, 北京 100193; 2. 山东临沂师范学院, 临沂 276009; 3. 中国热带农业科学研究院品种资源研究所, 儋州 571737; 4. 西北农林科技大学动物科技学院, 杨凌 712100

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 利用30对微卫星引物, 以中国西部7个地方绵羊(Ovis aries)品种为研究对象, 通过计算基因频率、平均杂合度(H)、多态信息含量(PIC)及有效等位基因数目(Ne), 并根据共祖遗传距离矩阵进行UPGMA聚类分析, 评估其品种内和品种间的遗传变异。结果表明: 在30个座位中, 共检测到239个等位基因, 平均每个座位等位基因数为8个; 品种平均有效等位基因数为2.9~3.4个, 座位平均有效等位基因数为1.9~5.3个; 座位平均杂合度为0.320~0.818, 品种平均杂合度在0.656~0.719之间, 座位平均PIC为0.388~0.786, 品种平均PIC在0.590~0.666之间。聚类分析表明各绵羊品种聚类结果与其来源、育成史和地理分布基本一致, 其中有争议之处仍待进一步探讨。

**关键词** [绵羊](#); [微卫星](#); [遗传多样性](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

马月辉

作者个人主页: [吕慎金<sup>1,2</sup>](#); [杨燕<sup>2</sup>](#); [候冠玉<sup>3</sup>](#); [马月辉<sup>1\\*</sup>](#); [耿社民<sup>4</sup>](#); [李宏滨<sup>1</sup>](#); [浦亚斌<sup>1</sup>](#)

## 扩展功能

### 本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(390KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

▶ [本刊中包含“绵羊; 微卫星; 遗传多样性”的相关文章](#)

▶ [本文作者相关文章](#)

· [吕慎金](#)

· [杨燕](#)

· [候冠玉](#)

· [马月辉](#)

· [耿社民](#)

· [李宏滨](#)

· [浦亚斌](#)