

预防兽医

单核细胞增多性李斯特菌LIPI-1全基因克隆与序列分析

谭炳乾^{1, 2}, 何启盖¹, 肖军², 陈焕春^{1*}

1.华中农业大学农业微生物国家重点实验室, 武汉 430070; 2.襄樊出入境检验检疫局, 襄樊 441003

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 参考GenBank中单核细胞增多性李斯特菌(LM)第I毒力岛(LIPI-1)有关基因序列设计引物,分段扩增、克隆了分离菌株XFL0605 LIPI-1毒力岛全基因序列,序列全长8 558 bp,包括完整的prfA、plcA、hly、mpl、actA和plcB 6个基因。对LIPI-1编码的6个毒力基因进行序列分析,各毒力基因反映的进化关系不尽一致,表明李斯特菌株在获得外源性毒力基因方面具有不同步性,各毒力基因来源也不尽相同。应用相应软件对各毒力基因编码蛋白的信号肽、跨膜区进行预测,确定了基因序列中调控蛋白PrfA结合区核苷酸序列。分析并确认了hlyA基因及推导氨基酸序列PEST基序和C端保守11肽序列。研究还发现LM菌株XFL0605 actA基因编码604个氨基酸,缺失了105 bp富脯氨酸重复片段编码碱基,只有2个E/DFPPPPXD/E重复序列。

关键词 [单核细胞增多性李斯特菌](#); [李斯特菌第I毒力岛](#); [prfA基因簇](#); [遗传进化分析](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

陈焕春

作者个人主页: [谭炳乾^{1;2}](#); [何启盖¹](#); [肖军²](#); [陈焕春^{1*}](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(889KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“单核细胞增多性李斯特菌; 李斯特菌第I毒力岛; prfA基因簇; 遗传进化分析”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [谭炳乾](#)
 - [何启盖](#)
 - [肖军](#)
 - [陈焕春](#)