

家鹅*Myostatin* 基因3' -UTR序列分析

杨凤萍, 王金玉, 陈义权, 李其松, 耿士忠, 张柳, 沈华

1.扬州大学生物科学与技术学院, 扬州 225009; 2.扬州大学动物科学与技术学院, 扬州 225009

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 利用家鹅*Myostatin*基因第3外显子设计上游引物、家鸡*Myostatin* 3' -UTR设计下游引物, PCR扩增并克隆出家鹅该基因 3' -UTR长1 064 bp DNA序列。该序列具有一个polyA 加尾信号序列(TAATAAA), 并富含连续的TTTT高保守区。分析家鹅与其他12个物种该序列的同源性发现, 其与家鸡的同源性最高, 达87.1%, 与鱼类的最低 (<11%)。以13个物种*Myostatin* 3' -UTR构建的分子进化树表明, 3' UTR能够为动物进化提供一定信息, 但适用于较低分类阶元。

关键词 [家鹅; *Myostatin* 3' -UTR分析; 进化](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 杨凤萍; 王金玉; 陈义权; 李其松; 耿士忠; 张柳; 沈华

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF \(738KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“家鹅; *Myostatin* 3' -UTR分析; 进化”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

• [杨凤萍](#)

• [王金玉](#)

• [陈义权](#)

• [李其松](#)

• [耿士忠](#)

• [张柳](#)

• [沈华](#)