

畜牧

*Apo-AI*基因多态性与鸡生长和体组成性状的相关研究

王启贵, 李辉, 李宁, 冷丽, 王桂华, 敖金霞, 王宇祥

1. 东北农业大学动物科学技术学院, 哈尔滨 150030; 2. 中国农业大学农业生物技术国家重点实验室, 北京 100094

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 以明星肉鸡和丝毛乌骨鸡杂交产生的F₂资源群体为试验材料, 根据鸡载脂蛋白AI (*Apo-AI*) 基因的5'端序列设计引物, 采用测序和PCR-SSCP方法进行SNP检测和基因型分析, 探讨*Apo-AI*基因多态性与鸡生长和体组成性状之间的关系。研究发现在*Apo-AI*基因序列起始密码子ATG上游163 bp处存在一个A / T突变。该突变产生的不同基因型与鸡生长和体组成性状进行的统计分析结果表明, BB基因型个体的1、2周龄体质量显著高于AA和AB基因型个体的相应体质量($P < 0.05$); BB基因型个体腹脂质量显著高于AA基因型个体的腹脂质量($P < 0.05$); BB和AB基因型个体的腹脂率显著高于AA基因型个体的腹脂率 ($P < 0.05$)。可以尝试将*Apo-AI*基因应用于鸡生长和腹脂性状的分子标记辅助选择育种方案中。

关键词 [鸡](#); [Apo-AI基因](#); [单核苷酸多态性](#); [生长](#); [体组成性状](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 王启贵; 李辉; 李宁; 冷丽; 王桂华; 敖金霞; 王宇祥

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF \(1200KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“鸡; Apo-AI基因; 单核苷酸多态性; 生长; 体组成性状”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [王启贵](#)

· [李辉](#)

· [李宁](#)

· [冷丽](#)

· [王桂华](#)

· [敖金霞](#)

· [王宇祥](#)