

遗传繁育

利用线粒体D-loop区分析家鸭品种遗传多态性与系统进化

张汤杰,李慧芳,陈宽维,常洪,汤青萍,张晶鑫

1.扬州大学兽医学院,扬州 225009; 2.中国农业科学院家禽研究所,扬州 225003;
3.扬州大学动物科学与技术学院,扬州 225009

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 通过线粒体DNA控制区的结构和多态性来研究我国家鸭的遗传多态性与系统进化。利用DNA测序技术测定了我国9个家鸭品种106个个体线粒体DNA控制区多变序列。序列分析结果显示:A、C、T、G碱基的平均含量分别为25.6%、33.3%、15.2%和25.9%。检测到34个变异位点,约占分析位点总数的5.1%,有转换、颠换、插入/缺失4种类型的变异。确定了31种单倍型,其中单倍型A7为家鸭的主体单倍型,品种之间有9种共享单倍型。9个家鸭品种单倍型多样性(Hd)平均为0.798,核苷酸多样性(Pi)平均为0.28%,单倍型多样性在荆江麻鸭中最高,其次是攸县麻鸭和恩施麻鸭,在文登黑鸭中最低。9个品种家鸭之间双参数距离范围为0.001 3~0.004 4。31个家鸭单倍型序列的系统发生分析表明,9个家鸭品种只有1个母系起源,没有发现东亚斑嘴鸭对9个家鸭品种起源有贡献的证据。

关键词 [家鸭](#); [mtDNA 控制区](#); [单倍型](#); [遗传多样性](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页:张汤杰;李慧芳;陈宽维;常洪;汤青萍;张晶鑫

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(445KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“家鸭; mtDNA 控制区; 单倍型; 遗传多样性”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [张汤杰](#)

· [李慧芳](#)

· [陈宽维](#)

· [常洪](#)

· [汤青萍](#)

· [张晶鑫](#)