



# 新闻中心

官方微信

- 新闻中心首页
- 图片新闻
- 要闻
- 科研进展
- 学术活动
- 人教动态
- 合作交流
- 党政工作
- 专家观点

当前位置： 首页 > 新闻中心 > 科研进展

## 牧医所发现调控地方猪种耳大小的特异性分子标记

分享：

文章来源：中国农业科学院北京畜牧兽医研究所 作者：张龙超 点击数：275 次 发布时间：2019-03-27

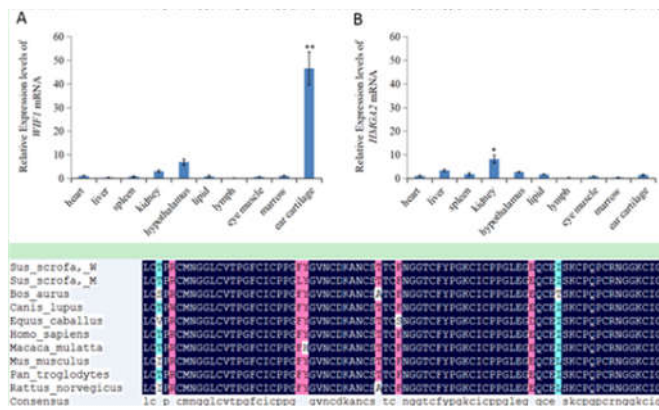
【字体：大 中 小】



近日，中国农业科学院北京畜牧兽医研究所猪遗传育种团队发现猪种质资源特色性状耳大小的重要错义突变，为进一步研究调控猪耳大小的分子机制提供了重要信息，并为猪品种遗传资源多样性研究提供了重要参考。相关研究成果在线发布在《动物遗传学 (Animal Genetics)》上。

我国拥有76个地方猪种，耳大小和形态具有丰富多样性，耳大小已经成为了品种特异性标志之一。该团队在猪5号染色体上定位了4个影响猪耳大小的关键候选基因，利用末端快速扩增技术得到基因的cDNA全长序列，其中WIF1基因在猪耳中的表达量最高。通过进一步研究，发现了位于编码蛋白的表皮样生长因子结构域中的一个种间保守的错义突变位点(WIF1: c.1167C>G)。进一步的北京黑猪群体验证实验显示，当把此突变位点固定后，全基因组关联研究结果中的原有关联峰迅速下降，进而验证了该突变可显著增加耳大小。(通讯员 高冰清)

原文链接：<https://doi.org/10.1111/age.12759>



打印本页 关闭本页

- 院属单位
- 院机关
- 新闻媒体
- 政府机构和组织
- 科研机构
- 高校



网站地图 | 联系我们 | 公众问答 | 网站纠错  
 中国农业科学院 承办:中国农业科学院农业信息研究所 地址:北京市海淀区中关村南大街12号 邮编:100081  
 Copyright © 中国农业科学院 京ICP备10039560号-5 京公网安备11940846021-00001号