

畜牧

西安荷斯坦奶牛群5个基因座位遗传多态性的PCR-RFLP分析

张润锋, 陈宏, 蓝贤勇, 田焱, 潘传英, 胡沈荣, 苏利红

1. 西北农林科技大学动物科技学院, 陕西省农业分子生物学重点实验室, 杨凌 712100;
2. 徐州师范大学生物技术研究所, 徐州 221116

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 应用PCR-RFLP方法对西安荷斯坦牛的 κ -cn、 β -lg、 β -lg 5'侧翼区、*CSN1S2*、*IGFBP-3*共5个基因座位进行了多态性分析。结果表明, 在西安荷斯坦牛群中, 没有发现携带*CSN1S2F*等位基因的个体, 其多态信息含量为0。 κ -cn基因座位呈现低度多态(PIC=0.236 6), β -lg、 β -lg 5'侧翼区、*IGFBP-3*基因座位的多态信息含量分别为0.316 8、0.368 9、0.443 9, 均呈现中度多态。 κ -cn、 β -lg、 β -lg 5'侧翼区、*IGFBP-3*、*CSN1S2*基因座位的杂合度和DNA多态度分别为0.274 2、0.394 7、0.487 9、0.489 1、0和0.025 5、0.011 6、0.033 3、0.011 2、0。而且, 在西安荷斯坦牛群中, κ -cn、 β -lg、 β -lg 5'侧翼区、*IGFBP-3*共4个基因座位均处于Hardy-Weinberg平衡状态, *CSN1S2*基因座位处于纯合状态。

关键词 [荷斯坦牛](#); [PCR-RFLP](#); [乳蛋白基因](#); [IGFBP-3](#); [遗传多态性](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: [张润锋](#); [陈宏](#); [蓝贤勇](#); [田焱](#); [潘传英](#); [胡沈荣](#); [苏利红](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(1563KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ 本刊中 [包含“荷斯坦牛; PCR-RFLP; 乳蛋白基因; IGFBP-3; 遗传多态性”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [张润锋](#)
- [陈宏](#)
- [蓝贤勇](#)
- [田焱](#)
- [潘传英](#)
- [胡沈荣](#)
- [苏利红](#)