

遗传繁育

新扬州鸡早期增重的OPAY02-SCAR分子标记研究

戴国俊, 谢恺舟, 王志跃, 吴圣龙, 施会强, Olowofeso O, 盛浩伟, 王金玉

1. 扬州大学动物科学与技术学院, 扬州 225009; 2. 江苏省海门京海肉鸡集团, 南通 226100; 3. Federal University of Technology, P.M.B. 704, Ondo, Nigeria

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 OPAY02型2条多态性条带经克隆、测序和引物设计后, 转换成SCAR标记, 并对86个新扬州鸡随机交配后代基因组DNA进行了PCR扩增。2条带DNA序列与红色原鸡基因组序列比对结果表明, 大分子量条带与位于红色原鸡第3号染色体上序列有98%的同源性, 共检测到8个SNPS, 其中195位的碱基T→G, 316位的A→T, 538位的G→A, 731位的T→A, 1 147位的G→A, 1 329位的T→C, 1 927位的C→T, 2 081位的C→T, 小分子量条带与红色原鸡没有同源序列, 推测新扬州鸡野祖除红色原鸡外, 还有其它来源。SCAR标记分析表明, 经条件优化随机扩增的OPAY02型标记稳定、可靠, 可用于遗传分析。2条带所在座位群体基因型平衡性测验结果表明, 所测新扬州鸡群体处于平衡状态, 选择可以打破平衡, 有利于动物育种。

关键词 [OPAY02型标记](#); [DNA测序](#); [生物信息学](#); [SCAR标记](#); [基因型平衡性测验](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: [戴国俊](#); [谢恺舟](#); [王志跃](#); [吴圣龙](#); [施会强](#); [Olowofeso O](#); [盛浩伟](#); [王金玉](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (808KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“OPAY02型标记; DNA测序; 生物信息学; SCAR标记; 基因型平衡性测验”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

• [戴国俊](#)

• [谢恺舟](#)

• [王志跃](#)

• [吴圣龙](#)

• [施会强](#)

• [Olowofeso O](#)

• [盛浩伟](#)

• [王金玉](#)