

遗传繁育

鹅Pit-1基因部分序列多态性分析

程金花¹, 赵文明¹, 乔娜¹, 王学斌¹, 姜庆林², 张康宁³, 陈国宏^{1*}

1. 扬州大学动物科学与技术学院, 扬州 225009; 2. 广东省家禽研究所, 广州 510520; 3. 常州市立华畜禽有限公司, 常州 213168

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 根据鸡Pit-1 mRNA 和基因组序列设计1对引物, 以籽鹅、狮头鹅、皖西白鹅、四季鹅、浙东白鹅和朗德鹅6个群体的DNA为模板, 扩增鹅Pit-1基因的部分片段。结果发现该片段存在2个插入/缺失突变, 共出现3种基因型, 分别为AA、AB和BB; 与AA基因型相比, BB基因型分别在扩增片段的132和145 bp后插入3和13 bp。所有群体在该突变位点上的等位基因频率均处于哈代-温伯格平衡状态 ($P>0.05$); 朗德鹅群体基因型分布与其他5个鹅群体均存在极显著差异 ($P<0.01$); 籽鹅和狮头鹅群体内基因型的分布与其他3个鹅群体存在显著差异 ($P<0.05$)。在狮头鹅和朗德鹅群体内, 等位基因A为优势等位基因, 而在皖西白鹅、四季鹅和浙东白鹅群体内等位基因B为优势等位基因。

关键词 [鹅; 垂体特异性转录因子; 多态性](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

陈国宏 qhchen@yzu.edu.cn

作者个人主页: [程金花¹](#); [赵文明¹](#); [乔娜¹](#); [王学斌¹](#); [姜庆林²](#); [张康宁³](#); [陈国宏^{1*}](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(1628KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献 \[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“鹅; 垂体特异性转录因子; 多态性”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [程金花](#)
- [赵文明](#)
- [乔娜](#)
- [王学斌](#)
- [姜庆林](#)
- [张康宁](#)
- [陈国宏](#)