

研究简报

长白山中华蜜蜂基因组DNA多态性的研究

薛运波, 李兴安, 葛凤晨, 蒋 滢, 历延芳, 李志勇, 王 志

吉林省养蜂科学研究所<sup>1</sup>

收稿日期 2006-4-7 修回日期 网络版发布日期 2007-2-7 接受日期

**摘要** 【目的】比较和揭示12个长白山中蜂(长白山地方采样点中华蜜蜂)基因组多态性的分布规律。【方法】采用RAPD-PCR技术选择性扩增基因组RAPD位点分子,以NTsys-PC方法建立基因组分子标记系统树状结构和计算基因组分子标记相似系数。【结果】1104号等6个蜂基因组分子标记多态性图谱同时具有240、400、700、和1 500 bp等4个条带,其系统树状结构在相似系数值为0.568时呈现相对独立的一个分支;1083号等6个蜂基因组分子标记多态性图谱同时具有240、400、600和1 200 bp等4个条带,其系统树状结构在相似系数值为0.586时呈现相对独立的另一个分支;相似系数值二维矩阵与系统树状结构之间的相关系数r为0.7874 (P<0.01)。同时,700 bp条带在12个蜂基因组分子标记多态性图谱中有10个蜂同时出现,即10:12。【结论】在相似度至少为56.8%和PCA占总变异度69.3897%或PCA1为30.5101%时,长白山中蜂基因组多态性按照RAPD分子标记特征拟初步聚集为2个地方类群,700 bp条带可能是长白山中蜂基因组所特有的DNA序列片段。

**关键词** [长白山中华蜜蜂](#) [RAPD](#) [分子标记](#) [多态性](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

李兴安 [asijl@sina.com](mailto:asijl@sina.com)

作者个人主页: 薛运波; 李兴安; 葛凤晨; 蒋 滢; 历延芳; 李志勇; 王 志

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF](#) (521KB)
- ▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“长白山中华蜜蜂”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [薛运波](#)
- [李兴安](#)
- [葛凤晨](#)
- [蒋 滢](#)
- [历延芳](#)
- [李志勇](#)
- [王 志](#)