

师资队伍

基本情况

教授

副教授

讲师

实验技术

党政管理人员

搜索

通知公告 [更多 >](#)

- 兰州大学考点2013年6月WSK英语
- 兰州大学2013年招收硕士研究生复试
- 草业学院榆中校区2013年春季学期值
- 关于做好2013年毕业研究生和同等学
- 兰州大学草学博士后流动站博士后研
- 关于选派本科生2013年秋赴加拿大曼

近期更新

- 草业学院榆中校区2013年春季学期值
- 我院同学荣获学校2012年度优秀志愿
- 张金林副教授获兰州大学2012年度“隆
- 段廷玉副教授参加国家牧草产业技术
- 兰州大学草学博士后流动站博士后研
- 我院草学学科被批准为第五批甘肃省

您的位置：网站首页 > 师资队伍 > 副教授 >

## 谢文刚

【来源：草地农业科技学院 | 发布日期：2013-02-27 | 作者：办公室】



### 一、基本情况

谢文刚，男，汉族，1982年生，四川资中人，中共党员，博士，兰州大学草地农业科技学院副教授。主要从事牧草遗传育种研究。

### 二、个人学习经历

2002. 9 - 2006. 7: 四川农业大学，草业科学系，获农学学士学位。

2006. 9 - 2012. 12: 四川农业大学, 草业科学系, 获农学博士学位。导师：张新全教授。

2010.11 - 2012.11: 美国农业部牧草与草原研究室 (USDA-FRRL) 进行博士生联合培养。导师：Shaur Bushman。

2012.12至今：兰州大学“萃英人才建设计划”引进人才，聘为副教授，在草地农业科技学院工作。

### 三、发表论文

[1]. **Wengang Xie**, Xinquan Zhang, Xiao Ma, Hongwei Cai, Yan Peng Bing Zeng. Diversity comparison and phylogenetic relationships of cocksfoot (*Dactylis glomerata* L.) germplasm as revealed by SSR markers Canadian Journal of Plant Science, 2010, 90 (1) :13-21. (SCI)

[2]. **Wengang Xie**, Xinquan Zhang, Hongwei Cai, Wei Liu, Yan Peng. Genetic diversity analysis and transferability of cereal EST-SSR markers to orchardgrass (*Dactylis glomerata* L.). Biochemical Systematics and

[3]. **Wengang Xie**, Xinquan Zhang, Hongwei Cai, Linkai Huang, Yan Peng, Xiao Ma. Genetic maps of SSR and SRAP markers in diploid orchardgrass (*Dactylis glomerata* L.) using the pseudo-testcross strategy. *Genome* 2011, 54: 212-221. (SCI)

[4]. **Wengang Xie**, Xiaofan Lu, Xinquan Zhang, Liang Cheng. Genetic variation of orchardgrass (*Dactylis glomerata* L.) cultivars and its comparison with wild accessions as revealed by SSR markers. *Genetics and Molecular Research*. 2012, 11 (1): 425 – 433. (SCI)

[5]. **Wengang Xie**, B. Shaun Bushman, Joseph G. Robins. A genetic linkage map of tetraploid orchardgrass (*Dactylis glomerata* L.) and QTL for heading date. *Genome*, 2012, 55:360-369. (SCI)

[6]. L K Huang, X Q Zhang, **W G Xie**, J Zhang, L Cheng, and HD Yan. Molecular diversity and population structure of the forage grass *Hemarthria compressa* (Poaceae) in south China based on SRAP markers. *Genetic and Molecular Research*, 2012, 11(3): 2441-2450.

[7]. **谢文刚**, 张新全, 马啸, 等. 鸭茅SSR-PCR 反应体系优化及引物筛选[J]. 分子植物育种, 2008, 6(2) 381-386.

[8]. **谢文刚**, 张新全, 马啸, 等. 鸭茅种质遗传变异及亲缘关系的SSR分析[J]. 遗传, 2009, 31 (6): 654-662.

[9]. **谢文刚**, 张新全, 马啸, 等. 中国西南区鸭茅种质遗传变异的SSR分析[J]. 草业学报, 2009, 18 (4): 138-146.

[10]. **谢文刚**, 张新全, 陈永霞. 鸭茅杂交种的SSR分子标记鉴定及其遗传变异分析[J]. 草业学报, 2010, 19 (2):212-217.

[11]. **谢文刚**, 张宝艺, 张新全, 刘伟, 陈永霞, 周禾. 鸭茅杂交种SRAP分子标记鉴定及遗传分析[J]. 中国农业科学, 2010, 43(16):3288-3295.

#### 四、研究经历

1、科技部973项目（2007CB108907）：南方优良饲草选育与分子聚合育种体系的基础研究。参与，从事鸭茅分子遗传多样性研究。

2、国家自然科学基金（项目批准号30871820）：鸭茅分子遗传图谱构建及重要农艺性状的QTL分析。主研，从事二倍体鸭茅遗传连锁图谱构建及QTL分析。

#### 五、获奖情况