



当前位置: 首页 >> 人事教育 >> 人才队伍 >> 专家学者 >> 副研究员 >> 正文

裴男才

发布者: [发表时间: 2019-10-19 [来源: [浏览次数: 1151

	姓名:	裴男才
	职称:	副研究员
	E-mail:	peincai@aliyun.com

个人简介

学习和教育经历:

2014年2-8月, 美国斯密森尼研究院国立自然历史博物馆(National Museum of Natural History, Smithsonian Institution)访问学者(国家自然科学基金委资助);

2006年9月-2011年7月, 中国科学院华南植物园(原华南植物研究所)植物学专业, 获理学博士学位(硕博连读);

2002年9月-2006年6月, 江西农业大学园林与艺术学院(林学院)林学专业, 获农学学士学位。

工作经历:

2011.07-至今, 在中国林业科学研究院热带林业研究所(广州)工作, 主要从事森林生物学、植物DNA条形码、植物与环境相互作用等方面研究。

2017.11, 湖南省森林植物园, 客座研究员; 江西农业大学林学院, 硕士研究生校外导师 (联合培养第二导师)

2017.07, 中国林业科学研究院, 硕士研究生导师

2016.12, 入选首届“中国林科院优秀青年创新人才培育计划”(2016年获首届中国林科院“优秀青年”资助; 全院每年评选不超过10人)。

2016.10-至今, 副研究员, 中国林科院热林所

2011.07-2016.09, 助理研究员, 中国林科院热林所

关注领域:

森林生物学, 城市林业。

基金项目:

主持国家自然科学基金2项(31200471, 31570594), 主持中国林科院优秀青年创新人才培育计划(CAFYBB2017QB002), 主持中央级公益性科研院所基本科研业务费专项资金(R17FYWZX201208)1项, 主持国家林业局林业科学技术普及项目1项(2015-KP18), 以第二任务负责人参与国家林业公益性行业科研专项项目(20140430105), 参加其他国家级、省部级和地方课题多项。

主要论著情况(通讯作者Corresponding author; *并列第一作者Co-First author):

自2011年起, 以第一/通讯作者身份发表(或接收)SCI论文8篇、中文核心期刊论文11篇。

2018

[32] Pei N(*), Wang C(*), Jin J, Jia B, Chen B, Qie G, Qiu E, Gu L, Sun R, Li J, Zhang C, Jiang S, Zhang Z. Long-term afforestation efforts increase bird species diversity in Beijing, China. *Urban Forestry & Urban Greening*, 2018, 29: 88-95. [IF₂₀₁₈=2.113; TOP 10%; Ranking in *Forestry*: 15/209; JCR-Q1; 林学二区]

2017

[31] 裴男才(*), 陈步峰, 史欣, 粟娟. 从生态学角度浅析森林城市群的建设与研究. *中国城市林业*, 2017, 15 (6): 1-5.

[30] Pei N (*), Chen B, Kress WJ. Advances of community-level plant DNA barcoding in China. *Frontiers in Plant Science*, 2017, 8: 225. [IF₂₀₁₅=4.495; TOP 10%; Ranking in *Plant Sciences*: 15/209; JCR-Q1]

2016

[29] 裴男才(*), 融合遗传、形态和环境信息的植物智能识别. *世界林业研究*, 2016, 29 (6): 29-32.

[28] 李健奇, 裴男才(*), 陈步峰, 史欣, 王成. 深圳城郊森林常见树种营养元素含量及分布特征. *生态科学*, 2016, 35 (6): 121-127.

[27] 裴男才. 城市森林生物多样性研究的几点思考. *中国生物多样性保护与研究进展XI (马宪平)*. 北京: 气象出版社. 2016: 166-172.

2015

[26] Pei N (*), Erickson DL, Chen B, Ge X, Mi X, Swenson NG, Zhang J-L, Jones FA, Huang C-L, Ye W, Hao Z, Hsieh C-F, Lum S, Bourg NA, Parker JD, Zimmerman JK, McShea WJ, Lopez IC, Sun I-F, Davies SJ, Ma K, Kress WJ (*). Closely-related taxa influence woody species discrimination via DNA barcoding: evidence from global forest dynamics plots. *Scientific Reports*, 2015, 5: 15127. [IF₂₀₁₄=5.578; TOP 10%; Ranking in *Multidisciplinary Sciences*: 5/56; JCR-Q1] (写入《中国林业科学研究院2015年科技进展报告》)

[25] Pei N, Chen B (*), Liu S. Pb and Cd Contents in Soil, Water, and Trees at an Afforestation Site, South China. *Bulletin of Environmental Contamination and Toxicology*, 2015, 95 (5): 632-637. [IF₂₀₁₄=1.255]

[24] Chen B (*), Pei N (*), Huang J (*), Liu S, Zhang N, Xiao Y, Pan Y. Removal of polycyclic aromatic hydrocarbons from precipitation in an urban forest of Guangzhou, south China. *Bulletin of Environmental Contamination and Toxicology*, 2015, 95 (2): 240-245. [IF₂₀₁₄=1.255]

[23] 裴男才(*). DNA条形码在进化生态学中的应用. *生物多样性*, 2015, 23 (3): 291-292. (主编邀稿)

[22] 裴男才, 李健奇, 陈步峰, 粟娟. 城市与森林. 生态智慧——生态可持续性(伍业钢, 唐剑武and 潘伟斌). 北京: 高等教育出版社. 2015: 109-116.

[21] 裴男才. 生物多样性保护与DNA条形码. 生态智慧——生物多样性(伍业钢, 唐剑武and 潘伟斌). 北京: 高等教育出版社. 2015: 123-130.

[20] Pei N-C, Kress WJ, Chen B-F, Erickson DL, Wong KM, Zhang J-L, Ye W-H, Huang Z-L, Zhang D-X (*). Phylogenetic and climatic constraints drive flowering phenological patterns in a subtropical nature reserve. *Journal of Plant Ecology*, 2015, 8 (2): 187-196. [IF₂₀₁₄=2.646; TOP 30%; Ranking in *Plant Sciences*: 47/200; JCR-Q1]

[19] Liu J, Yan H-F, Newmaster SG, Pei N, Ragupathy S, Ge X-J. The use of DNA barcoding as a tool for the conservation biogeography of subtropical forests in China. *Diversity and Distributions*, 2015, 21 (2): 188-199. [IF₂₀₁₄=3.667; TOP 30%]

2014

[18] Erickson DL, Jones FA, Swenson NG, Pei N, Bourg NA, Chen W, Davies SJ, Ge X-J, Hao Z, Howe RW, Huang C-L, Larson AJ, Lum SKY, Lutz J, Ma K, Meegaskumbura M, Mi X, Parker JD, Sun I-F, Wright SJ, Wolf AT, Xing D, Zimmerman JK, Kress WJ. Comparative evolutionary diversity and phylogenetic structure across multiple forest dynamics plots: a mega-phylogeny approach. *Frontiers in Genetics*, 2014, 5: 358.(写入《中国林业科学研究院2014年科技进展报告》)

[17] 裴男才. 中国植物DNA条形码研究若干重要进展. *中国生物多样性保护与研究进展X (马宪平)*. 北京: 气象出版社. 2014: 15-23

[16] 裴男才, 米湘成, 陈步峰(*). 植物DNA条形码技术应用于大样地群落学研究. *科学通报*, 2014, 59 (24): 2333-2341.(写入《中国林业科学研究院2014年科技进展报告》)

[15] 潘勇军, 陈步峰, 黄金彪, 肖以华, 裴男才, 史欣. 南沙沿海防护林对“韦森特”台风的防护效应. *中南林业科技大学学报*, 2014, 34 (10): 84-89.

2013

[14] 裴男才, 陈步峰(*), 吴毅, 粟娟, 潘勇军, 肖以华, 史欣, 段金平. 广州市南沙区海岸防护林群落构建技术研究. *生态环境学报*, 2013, 22 (11): 1802-1806.

[13] 裴男才, 陈步峰(*), 邹志莲, 潘勇军, 肖以华. 珠江三角洲不同污染梯度下森林优势种叶片和枝条S含量比较. *生态学报*, 2013, 33 (19): 6114-6120.

[12] 裴男才(*), 陈步峰. 生物DNA条形码: 十年发展历程、研究尺度和功能. *生物多样性*, 2013, 21 (5): 616-627.

[11] 米湘成, 裴男才, 马克平. 群落系统发育学研究进展. *新生物学年鉴2013(《新生物学年鉴2013》编委会)*. 北京: 科学出版社. 2013: 266-289.

[10] 黄俊彪, 陈步峰, 裴男才, 肖以华, 潘勇军. 海岸景观防护林群落对堤岸土壤化学的生态效应. *生态环境学报*, 2013, 22 (8): 1303-1309.

[9] 潘勇军, 陈步峰, 王兵, 肖以华, 裴男才, 彭清珍, 粟娟, 史欣, 黄金彪. 广州市森林生态系统服务功能评估. *中南林业科技大学学报*, 2013, 33 (5): 73-78.

2012

[8] Swenson NG, Erickson DL, Mi X, Bourg NA, Montana-Forero J, Ge X, Howe R, Lake JK, Liu X, Ma K, Pei N, Thompson J, Uriarte M, Wolf A, Wright SJ, Ye W, Zhang J, Zimmerman JK, Kress WJ. Phylogenetic and Functional Alpha and Beta Diversity in Temperate and Tropical Tree Communities. *Ecology*, 2012, 93 (8): S112-S125. [IF₂₀₁₁=4.849; TOP 10%]

[7] 裴男才(*). 利用植物DNA条形码构建亚热带森林群落系统发育关系——以鼎湖山样地为例. *植物分类与资源学报*, 2012b, 34 (3): 263-270.

[6] Feng G, Zhang J, Pei N, Rao M, Mi X, Ren H, Ma K. Comparison of phylobetadiversity indices based on community data from Gutianshan forest plot. *Chinese Science Bulletin*, 2012, 57 (6): 623-630. [IF₂₀₁₁=1.321; TOP 30%]

[5] 裴男才(*). 利用DNA条形码技术识别植物物种. *应用生态学报*, 2012a, 23 (5): 1240-1246.

2011

[4] 裴男才(*). 利用大样地平台研究种子植物区系. *植物分类与资源学报*, 2011, 33 (6): 615-621.

[3] Pei N, Luo Z, Schlessman MA, Zhang D (*). Synchronized protandry and hermaphroditism in a tropical secondary forest tree, *Schefflera heptaphylla*(Araliaceae). *Plant Systematics and Evolution*, 2011, 296 (1): 29-39. [IF₂₀₁₀=1.369; Ranking in *Plant Sciences*: 73/173; 植物学领域主流刊物]

[2] Pei N (*), Lian J-Y (*), Erickson DL, Swenson NG, Kress WJ, Ye W-H (*), Ge X-J (*). Exploring tree-habitat associations in a Chinese subtropical forest plot using a molecular phylogeny generated from DNA barcode loci. *PLoS ONE*, 2011, 6 (6): e21273. [IF₂₀₁₀= 4.411; TOP 15%; Ranking in *Multidisciplinary Sciences*: 9/76; JCR-Q1]

[1] 裴男才(*), 张金龙, 米湘成, 葛学军. 植物DNA条形码促进系统发育群落生态学发展. *生物多样性*, 2011, 19 (3): 284-294. (被中国科学技术信息研究所评为2014年度“领跑者5000——中国精品科技期刊顶尖论文”)

作为编者, 参编专著1部(4册, 合计数数53万)

生态智慧(主编: 伍业钢, 唐剑武, 潘伟斌). 北京: 高等教育出版社. 2015

学术任职:

中国林学会城市森林分会理事(2013-), 广东省生态学会森林生态专业委员会秘书长(2014-), 中国林学会高级会员、中国植物学会高级会员、中国生态学会会员、广东省植物学会会员、国际生物地理学会(BS)会员、中华海外生态学会协会(SINO-ECO)会员等。

印度SRM University博士论文外审专家。

《中国城市林业》编委(2016-), SCI期刊Forests的Guest Editor(2018-), 与美国W. John Kress教授共同组织Special Issue “Genetic and Morphological Variation in Tropical and Temperate Plant Species” (http://www.mdpi.com/journal/forests/special_issues/Plant_Genetic_Morphological)。《科学通报》、《植物生态学报》、《生物多样性》、《植物分类与资源学报》、《原云南植物研究》、《植物科学学报》(原武汉植物学研究)、《遗传》、《农业生物技术学报》、《中国城市林业》、Ecology and Evolution、Frontiers in Plant Science、Habitat International、Journal of Plant Ecology、Journal of Systematics and Evolution、PLoS ONE、Philippine Agricultural Scientist、Scientific Reports、Tropical Conservation Science等10多种国内外学术刊物审稿人。

表彰与荣誉:

2017年, 作为中国林学会城市森林分会的3名主要代表之一, 受邀参加在人民大会堂举行的中国林学会成立100周年纪念大会

2016年, 作为中方代表和受邀专家, 参加首届亚太城市林业论坛, 并参与《珠海宣言》(Zhuhai Declaration)的讨论与制定工作(联合国粮农组织FAO)、中国国家林业局城市森林研究中心和广东省珠海市政府共同主办)

2015年, 由裴男才、张金龙、米湘成、葛学军合著的论文“植物DNA条形码促进系统发育群落生态学发展”被评选为中国精品科技期刊顶尖学术论文“领跑者5000”(中国科学技术信息研究所颁发)

2014年, 由裴男才、张金龙、米湘成、葛学军合著的论文“植物DNA条形码促进系统发育群落生态学发展”被评选为《生物多样性》2014“年度高影响力论文”(中国科学院生物多样性委员会和《生物多样性》编委会颁发);

2013年, 获中国林业青年科技论坛优秀论文一等奖1次(中国林学会颁发);

2012年, 获得第三届南粤科技创新优秀学术论文二等奖(每两年评选一次, 全省评出一等奖5篇, 二等奖20篇; 广东省科学技术协会颁发);

2011和2015年, 获第六届、八届现代生态学讲座暨第二届、六届国际青年生态学者论坛表彰证书“Yang Hanxi Career Enhancement Award”(中华海外生态学会协会颁发)。

