

作物种质资源

作物遗传资源的抗病虫害多样性与农业可持续发展

王晓鸣 金达生

中国农业科学院作物品种资源研究所,北京

摘要:

育种中对少数具显性单基因抗性的亲本材料的广泛利用,致使推广品种的抗病虫害遗传背景狭窄,导致作物病虫害种类发生演变和重要病虫害持续爆发或流行。我国拥有丰富的作物遗传资源,在1986~1995年评价了7类粮食作物60万份将种质对58种病虫害的抗性,发掘出3万份次的抗性种质,其中6000多份兼抗2种以上病虫害。丰富的抗性资源是今后拓栽培品种遗传背景的重要基础。利用现代生物技术从农家品种、育成品种、外引品种、野生种和近缘植物中发掘并合理利用显性单基因抗性和微效多基因抗性,通过遗传多样性的恢复,达到农田生态系稳定,促进农业的可持续发展。

关键词: 作物 病虫害 持续农业 种质资源 抗性多样性

Abstract:

Keywords:

收稿日期 修回日期 网络版发布日期

DOI:

基金项目:

通讯作者:

作者简介:

作者Email:

参考文献:

本刊中的类似文章

文章评论

反馈人	<input type="text"/>	邮箱地址	<input type="text"/>
反馈标题	<input type="text"/>	验证码	<input type="text"/> 0860

扩展功能

本文信息

- ▶ Supporting info
- ▶ PDF(197KB)
- ▶ [HTML全文]
- ▶ 参考文献[PDF]
- ▶ 参考文献

服务与反馈

- ▶ 把本文推荐给朋友
- ▶ 加入我的书架
- ▶ 加入引用管理器
- ▶ 引用本文
- ▶ Email Alert
- ▶ 文章反馈
- ▶ 浏览反馈信息

本文关键词相关文章

- ▶ 作物 病虫害 持续农业 种质资源 抗性多样性

本文作者相关文章

PubMed