

无栏目

利用RAPD分子标记定位2个水稻稻瘟病菌非致病性基因

林菲,李进斌,李成云,王玲,潘庆华

华南农业大学资源环境学院植物抗病遗传学研究室

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 选择日本鉴别品种新 2号和K5 9,对源于云南省的水稻稻瘟病菌可育性菌株CHL12 4(MAT1 1)和CHL12 5 (MAT1 2)及其杂交后代 72个子囊菌株的非致病性(无毒性)进行了遗传分析。结果表明,菌株CHL12 4对新 2号(含有效抗性基因Pish)和K5 9(Pit)的非致病性分别由非致病性基因Avr2 Pish和Avr2 Pit控制。通过对这 2个基因控制的非致病性反应进行列联卡方测验,显示这 2个基因连锁在一起,重组率为 26.8%。进一步利用分离群体分析法,对这 2个基因进行了RAPD(随机扩增多态性DNA)分析。结果发现,2个RAPD标记OPW 0 6 64 5和OPW 1364 5与非致病性基因Avr2 Pish连锁,它们的重组率分别为 27.8%和 26.5%;另 1个RAPD标记OPR11517则与非致病性基因Avr2 Pit连锁,重组率为 23.5%。

关键词 [稻瘟病菌](#) [非致病性基因](#) [RAPD](#) [连锁](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: [林菲](#); [李进斌](#); [李成云](#); [王玲](#); [潘庆华](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (268KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“稻瘟病菌”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [林菲](#)

· [李进斌](#)

· [李成云](#)

· [王玲](#)

· [潘庆华](#)