

【作者】	吴伟刚, 刘桂茹, 沈凤英
【单位】	河北北方学院, 河北张家口
【卷号】	37
【发表年份】	2009
【发表刊期】	28
【发表页码】	13524-13525
【关键字】	小麦; 白粉病; BSA; 遗传分析
【摘要】	<p>[目的] 对小麦品种SARKA的抗白粉病基因进行遗传分析。[方法] SARKA(抗)×河农822(感)的F₁代表现为感病, 对其F₂代分离群体300株进行抗病、感病鉴定; 利用χ^2测验进行统计分析; 采用集团分离分析法(BSA)对F₂代群体建立抗病DNA池和感病DNA池, 选取均匀分布于小麦21个连锁群上的165对引物对抗感DNA池以及双亲进行SSR引物筛选。[结果] 经过χ^2测验符合1:〔KG-*(2/3)〕³一对等位基因的分离规律, 抗性分析表明, SARKA的抗病性是由一对隐性基因控制。[结论] 位于1A染色体上的SSR标记 Xgwm99、Xgwm 357与SARKA的抗白粉病基因连锁程度较高, 遗传距离分别为34.7和29.9 cM。</p>
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭