

研究论文

水稻品种“佳辐占”应答细菌性条斑病病原菌侵染的蛋白质组学分析

陈芳育¹,黄青云²,张红心²,林涛²,郭玉春¹,林文雄¹,陈亮^{2,*}

¹福建农林大学/生物农药与化学生物学教育部重点实验室, 福建福州350002; ²厦门大学生命科学学院/细胞生物学与肿瘤工程教育部重点实验室, 福建厦门361005

收稿日期 2006-10-9 修回日期 网络版发布日期 2007-6-19 接受日期 2007-1-19

摘要 运用双向电泳分析高抗水稻品种“佳辐占”受强毒力细菌性条斑病病原菌侵染2 d后的叶片蛋白质组变化, 共发现38个蛋白质发生差异表达, 其中32个上调, 5个下调, 1个新增。用MALDI-TOF-MS分析和数据库检索鉴定出其中的33个差异表达蛋白质, 并将它们分为4个功能类群, 即信号转导相关蛋白、防卫相关蛋白、代谢相关蛋白和蛋白质稳定

关键词 [水稻](#) [细菌性条斑病](#) [蛋白质组学](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

陈亮 chenlg@xmu.edu.cn

作者个人主页: 陈芳育¹;黄青云²;张红心²;林涛²;郭玉春¹;林文雄¹;陈亮^{2,*}

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(4396KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“水稻”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [陈芳育](#)
- [黄青云](#)
- [张红心](#)
- [林涛](#)
- [郭玉春](#)
- [林文雄](#)
- [陈亮](#)
-