

植物保护

## 马铃薯和番茄晚疫病病菌全基因组DNA的RAPD多态性分析

张艺萍<sup>1</sup>, 罗文富<sup>2\*</sup>, 杨艳丽<sup>2</sup>

1. 云南省农业科学院花卉研究所, 云南 昆明 650205;
2. 云南农业大学, 云南省植物病理重点实验室, 云南 昆明 650201

收稿日期 2006-9-20 修回日期

**摘要** 对采集自云南省元谋等9个县的35个马铃薯和番茄晚疫病菌株用RAPD的方法进行了分子指纹的研究。马铃薯晚疫病病菌和番茄晚疫病病菌全基因组DNA指纹研究结果表明, 两类晚疫病病菌有丰富的遗传多态性, 在不同的相似水平上可以划分为许多不同的遗传组群。来自不同寄主的菌株间有一定的遗传差异, 但马铃薯晚疫病病菌和番茄晚疫病病菌不能完全划分为两个不同的组群, 而是交叉分布在不同的遗传组群中。

**关键词** [致病疫霉](#) [马铃薯](#) [番茄](#) [遗传多态性](#) [RAPD](#)

**分类号** [S 436.412](#)

## Research on the Genetic Diversity of *Phytophthora infestans* from Potato and Tomato

ZHANG Yi-ping<sup>1</sup>, LUO Wen-fu<sup>2</sup>, YANG Yan-li<sup>2</sup>

1. Flower Institute, Yunnan Agricultural Academy of Sciences, Kunming 650205, China;
2. The Key Laboratory for Plant Pathology of Yunnan Province, Y A U, Kunming 650201, China

### Abstract

This paper is researched on the molecular fingerprint of 35 isolates of *Phytophthora infestans* from 9 counties of Yunnan province by RAPD. The results showed the isolates from potato and tomato had abundant genetic diversity. The analysis of clustering indicated all isolates were clustered into different genetic similarity group at different similarity level. It is showed the isolates from potato and tomato had genetic difference. But the isolates from potato and tomato could not clustered into two different genetic group, they could clustered different genetic group.

**Key words** [Phytophthora infestans](#) [potato](#) [tomato](#) [genetic diversity](#) [RAPD](#)

DOI:

通讯作者 张艺萍 [blackfarinj@126.com](mailto:blackfarinj@126.com)

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(545KB\)](#)
- ▶ [HTML全文\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“致病疫霉”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [张艺萍](#)
- [罗文富](#)
- [杨艳丽](#)