

植物保护

烟粉虱B型和Q型群体遗传结构的ISSR比较分析

山东省农业科学院高新技术研究中心

收稿日期 2007-7-11 修回日期 网络版发布日期 2008-8-10 接受日期 2008-8-25

摘要 【目的】对烟粉虱复合种中2种入侵性较强的生物型烟粉虱B型和Q型的群体遗传结构进行比较研究，揭示其入侵机制并对其管理提供依据。【方法】采用简单序列重复区间扩增（ISSR）标记，以温室白粉虱以及浙江非B/Q型为对照种群，对世界各地16个烟粉虱B型种群和4个烟粉虱Q型种群的遗传结构进行分析。【结果】遗传多样性分析结果表明，烟粉虱Q型种群的Nei氏基因多样性指数、Shannon信息指数及多态性位点百分比等各项遗传多样性指数均高于烟粉虱B型的相应指数。聚类分析结果提示，ISSR标记能够区分烟粉虱不同生物型，但可能不适用于生物型之间的系统发育分析。【结论】烟粉虱B型种群遗传多样性高于Q型种群。

关键词 [入侵机制](#) [烟粉虱B型](#) [烟粉虱Q型](#) [遗传结构](#) [ISSR](#)

分类号

DOI:

通讯作者：
张友军 zhangyj@mail.caas.net.cn
作者个人主页：

扩展功能
本文信息
▶ Supporting info
▶ PDF (469KB)
▶ [HTML全文] (0KB)
▶ 参考文献[PDF]
▶ 参考文献
服务与反馈
▶ 把本文推荐给朋友
▶ 加入我的书架
▶ 加入引用管理器
▶ 引用本文
▶ Email Alert
▶ 文章反馈
▶ 浏览反馈信息
相关信息
▶ 本刊中 包含“入侵机制”的 相关文章
▶ 本文作者相关文章
· 褚 栋, 万方浩, 徐宝云, 吴青君, 张友军