



首页

学院概况

师资队伍

创新团队

人才培养

科学研究

党建思政

团学活动

社会服务

校友天地

尤士骏

发布时间：2019-03-25 浏览：6902



尤士骏，加拿大英属哥伦比亚大学博士，副教授，博士生导师。“福建省杰出青年基金”获得者；入选福建省高层次人才（B类），福建省“雏鹰计划”青年拔尖人才，福建省百千万人才工程（省级）；兼任教育部国际合作联合实验室副主任、科技部国际合作基地副主任、国家外专局“111”引智基地副主任。主要关注农业昆虫的环境适应性及其进化，探索与重要适应性表型相关的分子机理。近年来，主持国家自然科学基金面上项目、国家重点研发项目子课题等多个项目。

已发表论文30余篇，包括作为第一或通讯作者发表在Nature Communications (2篇)、Plant Biotechnology Journal、PLoS Pathogens、JAFC、PMS、IBMB、Insect Science、昆虫学报等国内外高水平学术期刊的研究论文。研究成果分别被以上多个期刊作为标志性文章重点推荐，包括入选Nature Communications Editors' Highlights专辑，ACS Editor's Choice美国化学学会编辑推荐文章，以及昆虫学报重点推介的封面文章。同时，受聘担任《应用昆虫学报》编委，也是Molecular Ecology Resources、Entomologia Generalis、Insect Science等期刊的特约审稿人。

研究方向

农业昆虫适应性进化
昆虫-共生菌互作
害虫生态防控

受教育及工作经历

2007，戴尔豪斯大学（哈利法克斯，加拿大），学士（荣誉学位）
2010，英属哥伦比亚大学（温哥华，加拿大），硕士
2017，英属哥伦比亚大学（温哥华，加拿大），博士
2018至今，福建农林大学，副教授，博士生导师

承担课程

本科生：昆虫生态学（双语）
博士研究生：昆虫学进展、进化生态学

代表性论著

- Chen, Y., Liu, Z., Régnière, J., Vasseur, L., Lin, J., Huang, S., Ke, F., Chen S., Li, J., Huang, J., Gurr, G^{*}, You, M^{*}, You, S^{*} (2021). Large-scale genome-wide study reveals climate adaptive variability in a cosmopolitan pest, Nature Communications, DOI: [10.1038/s41467-021-27510-2](https://doi.org/10.1038/s41467-021-27510-2).
- Liu, T., Zhan, X., Yu, Y., Wang, S., Lu, C., Lin, G., Zhu, X., He, W., You, M^{*}, You, S^{*} (2021). Molecular and pharmacological characterization of biogenic amine receptors from the diamondback moth, *Plutella xylostella*. Pest Management Science, DOI: [10.1002/ps.6481](https://doi.org/10.1002/ps.6481) (Featured Cover Image).
- Xie, C., Xiong, L., Ye, M., Shen, L., Li, J., Zhang, Z., You, M., You, S^{*} (2021). Genome-wide analysis of V-ATPase genes in *Plutella xylostella* (L.) and the potential role of PxVHA-G1 in resistance to *Bacillus thuringiensis* Cry1Ac toxin, International Journal of Biological Macromolecules, DOI: [10.1016/j.ijbiomac.2021.11.169](https://doi.org/10.1016/j.ijbiomac.2021.11.169).
- You, M[#], Ke, F[#], You, S[#], et al. (2020). Variation among 532 genomes unveils the origin and evolutionary history of a global insect herbivore. Nature communications, DOI: [10.1038/s41467-020-16178-9](https://doi.org/10.1038/s41467-020-16178-9).
- Liu, Z., Fu, S., Ma, X., Baxter, S. W., Vasseur, L., Xiong, L., Huang, Y., Yang, G., You, S^{*}, You, M^{*} (2020). Resistance to *Bacillus thuringiensis* Cry1Ac toxin requires mutations in two *Plutella xylostella* ATP-binding cassette transporter paralogs. PLoS pathogens, DOI: [10.1371/journal.ppat.1008697](https://doi.org/10.1371/journal.ppat.1008697).
- Wang, Y., Huang, Y., Xu, X., Liu, Z., Li, J., Zhan, X., Yang, G., You, M^{*}, You, S^{*} (2020). CRISPR/Cas9-based functional analysis of yellow gene in the diamondback moth, *Plutella xylostella*. Insect Science, DOI: [10.1111/1744-7917.12870](https://doi.org/10.1111/1744-7917.12870).
- Zhou, Y., Wang, W., Salauddin, N. M., Lin, L., You, M., You, S^{*}, Yuchi, Z^{*} (2020). Crystal structure of the N-terminal domain of ryanodine receptor from the honeybee, *Apis mellifera*. Insect Biochemistry and Molecular Biology, DOI: [10.1016/j.ibmb.2020.103454](https://doi.org/10.1016/j.ibmb.2020.103454).
- Zhou, Y., Ma, D., Lin, L., You, M., Yuchi, Z^{*}, You, S^{*} (2020). Crystal Structure of the Ryanodine Receptor SPRY2 Domain from the Diamondback Moth Provides Insights into the Development of Novel Insecticides. Journal of Agricultural and Food Chemistry, DOI: [10.1021/acs.jafc.9b08151](https://doi.org/10.1021/acs.jafc.9b08151).

