

### 吴浩：武汉社区防控战场上的“排雷”专家

【本报武汉11日电】在武汉社区防控战场上，吴浩是那个“排雷”的专家。他每天穿梭在武汉的社区、街道、楼宇之间，用他的专业知识和丰富经验，为武汉的疫情防控工作保驾护航。

吴浩，男，汉族，1968年10月出生，湖北武汉人。现任武汉市疾病预防控制中心副主任、武汉市疾病预防控制中心传染病预防控制所所长。吴浩从事传染病预防控制工作30余年，曾先后担任武汉市疾病预防控制中心副主任、武汉市疾病预防控制中心传染病预防控制所所长等职务。吴浩具有扎实的理论基础和丰富的实践经验，曾多次参加国家、省、市组织的各种培训班和学术会议，多次赴国外考察学习。吴浩在传染病预防控制领域有着深厚的造诣，特别是在病毒性肝炎、结核病、艾滋病、新型冠状病毒肺炎等传染病的预防控制方面有着丰富的经验。

在武汉疫情防控工作开展以来，吴浩作为武汉市疾病预防控制中心副主任，承担着全市疫情防控工作的重要职责。他每天工作十几个小时，几乎没有休息的时间。他深入社区、街道、楼宇，指导基层防控工作，为武汉的疫情防控工作贡献了智慧和力量。

### 《众志成城 抗击疫情》 邮票在全国发行



### 我国径流曲线数参数指标体系构建

【本报北京11日电】由水利部成都山地灾害与环境研究所承担的“十三五”国家重点研发计划项目“山区径流曲线数参数指标体系构建”近日完成。该项目旨在构建一套适用于我国山区的径流曲线数参数指标体系，为山区径流预测和洪水防治提供科学依据。

径流曲线数（RCS）是衡量流域产流能力的重要指标，广泛应用于水文模型和洪水预测。然而，传统的RCS指标体系主要基于欧美国家的地理环境，难以适用于我国复杂的山区地形和气候条件。本项目通过大量的野外调查和模型模拟，结合我国山区的实际情况，构建了一套更加科学、合理的径流曲线数参数指标体系。

### 枯叶蛾科昆虫马尾松毛虫基因组首次解析

【本报北京11日电】中国科学院昆明植物研究所、中国科学院昆明动物研究所等单位联合攻关，首次解析了枯叶蛾科昆虫马尾松毛虫的基因组。这一成果为研究马尾松毛虫的生物学特性、进化关系和防治策略提供了重要的基因组学依据。

马尾松毛虫是我国分布最广、危害面积最大的针叶林食叶害虫，其幼虫取食松针，导致松林成片死亡，给我国林业生产造成了巨大的经济损失。长期以来，人们对马尾松毛虫的生物学特性和防治策略的研究一直受到限制。基因组学的发展为深入研究马尾松毛虫的生物学特性提供了新的工具和方法。本研究团队通过高通量测序和生物信息学分析，成功解析了马尾松毛虫的基因组，揭示了其基因组结构和功能特点。

### 科学家“触网”彰显为民情怀

【本报北京11日电】在疫情防控阻击战中，许多科技工作者利用网络平台和新媒体，积极宣传疫情防控知识，普及防护技能，为打赢疫情防控阻击战贡献了智慧和力量。他们的“触网”行为，彰显了科技工作者的社会责任感和为民情怀。

在疫情防控期间，许多科技工作者利用自己的专业知识和技术优势，通过网络平台开展科普宣传。他们制作了大量的科普视频、图文和音频，通过微信、微博、抖音等新媒体平台发布，吸引了大量网友的关注和转发。这些科普内容不仅通俗易懂，而且具有很强的实用性，为公众提供了科学的防护指导。

### 博物馆日将至 “国云展”等你来

【本报北京11日电】2020年“博物馆日”即将到来，各大博物馆纷纷推出线上展览，让观众足不出户就能欣赏到珍贵的文物和艺术品。这些线上展览不仅丰富了观众的视野，也为博物馆的文化传播提供了新的渠道。

随着互联网技术的发展，博物馆的展示形式越来越多样化。除了传统的线下展览外，线上展览已成为博物馆展示的重要平台。各大博物馆纷纷推出线上展览，包括虚拟展厅、数字藏品、互动体验等。这些线上展览不仅突破了时间和空间的限制，还为观众提供了更加便捷、丰富的观展体验。

### 新形势下如何加强基础研究？科技部等六部门划重点

【本报北京11日电】科技部、教育部、财政部、国家自然科学基金委员会、中国科学院、中国工程院等六部门联合印发《关于全面加强基础科学研究的若干意见》，明确了新形势下加强基础研究的重点任务和政策措施。该意见强调要加大对基础研究的投入，优化科研环境，激发创新活力，为科技自立自强提供坚实支撑。

基础科学研究是科技创新的源头，对于建设世界科技强国具有重要意义。然而，我国在基础科学研究方面还存在投入不足、体制机制不健全、人才流失等问题。《关于全面加强基础科学研究的若干意见》从加大投入、完善体制机制、加强人才队伍建设等方面提出了具体的政策措施。意见要求各级政府和社会各界要加大对基础研究的投入，建立健全基础科学研究体制机制，营造尊重知识、尊重人才、尊重创造的科研环境，吸引和留住优秀科技人才，激发他们的创新活力。

◀ 上一篇 下一篇 ▶

2020年05月12日 星期二

放大 ◯ 缩小 ◯ 默认 ◯

## 枯叶蛾科昆虫马尾松毛虫基因组首次解析

科技日报北京5月11日电（记者马爱平 通讯员宋平 陈力）11日，从中国林科院获悉，该院专家成功构建出包含30条染色体的马尾松毛虫高质量基因组，日前该成果在《分子生态资源》杂志在线发表。这是枯叶蛾科昆虫的首次基因组解析，将为马尾松毛虫和其他枯叶蛾科昆虫的功能和进化研究提供重要依据。

马尾松毛虫是我国发生范围最广、危害面积最大的针叶林食叶害虫，其幼虫取食松针。虫害爆发期间连片松林在数日内被蚕食精光，远看枯黄、焦黑，如同火烧一般，被称为“不冒烟的森林火灾”。但从松毛虫内部分子机理探索其成灾机理目前还鲜有报道。

该研究通过对马尾松毛虫的基因组进化、基因扩张收缩分析后发现，马尾松毛虫有2104个基因家族发生扩张，1900个基因家族发生收缩。扩增的基因家族中与外源化合物降解和解毒系统相关的基因显著富集。进一步分析发现，马尾松毛虫和欧洲重要针叶林食叶害虫松异舟蛾同样有细胞色素P450基因的扩张现象，表明马尾松毛虫P450基因，尤其是CYP3家族基因可能与松针抗性化合物的耐受性有关。

论文第一作者、中国林科院副研究员张苏芳表示，马尾松树体本身分泌的树脂、松香等化合物在物理性和化学性上能阻挡大部分害虫对其危害，但松毛虫却可以依附其生存，并在大面积爆发后造成不可挽回的经济损失和生态破坏。从基因水平上研究分析松毛虫的成灾机理，掌握其演变发生规律，控制害虫的种群数量，或将达到“虫不成灾”的防控目的。

第03版：综合新闻

上一版 ▶ 下一版 ◀

- ▶ 科学家“触网”彰显为民情怀
- ▶ 吴浩：武汉社区防控战场上的“排雷”专家
- ▶ 《众志成城 抗击疫情》 邮票在全国发行
- ▶ 博物馆日将至 “国云展”等你来
- ▶ “南丁格尔之灯”点亮抗疫战场
- ▶ 我国径流曲线数参数指标体系构建
- ▶ 图片新闻
- ▶ 枯叶蛾科昆虫马尾松毛虫基因组首次解析
- ▶ 新形势下如何加强基础研究？科技部等六部门划重点
- ▶ 天花：第一个被消灭的传染病“大魔头”

◀ 上一篇 下一篇 ▶