

无栏目

3个小麦重组自交系群体抗赤霉病QTLs的SSR分析

任丽娟,沈晓蓉,周淼平,张旭,马鸿翔,陆维忠,Paul Nichoson

江苏省农业科学院遗传生理研究所

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 对3个重组自交系群体(RILs)苏麦3号/Alondra F_7、望水白/Alondra F_8、894037/Alondra F_8进行SSR分析,用单个标记方差及回归分析方法,结合接种鉴定资料,寻找与抗赤霉病性有关的SSR分子标记。结果显示,在这3个抗病亲本的3B染色体上都存在一个主效抗赤霉病QTL,分别能解释2.6%~6.7%(苏麦3号)、47.4%(894037)、8.9%~27.0%(望水白)的抗性表型变异。在其它一些染色体上也发现一些微效QTLs,如2D、4B、4D、7A、6B染色体上,其中存在于4B染色体上的一个QTL来源于感病品种Alondra。在望水白/Alondra F_8群体中检测到了1个存在于2D染色体的抗赤霉病QTL,来源于抗病品种望水白,而在894037/Alondra F_8群体上检测到的1个存在于2D染色体的抗赤霉病QTL,则来源于感病品种Alondra,对其真实性将进一步研究。

关键词 [小麦](#) [赤霉病抗性](#) [重组自交系群体](#) [SSR标记](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 任丽娟;沈晓蓉;周淼平;张旭;马鸿翔;陆维忠;Paul Nichoson

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (287KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“小麦”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [任丽娟](#)

· [沈晓蓉](#)

· [周淼平](#)

· [张旭](#)

· [马鸿翔](#)

· [陆维忠](#)

· [Paul Nichoson](#)