

植物保护

中国马铃薯疮痂病原菌16S rDNA的遗传多样性分析

河北农业大学植物保护学院/河北省农作物病虫害生物防治工程技术研究中心

收稿日期 2008-1-23 修回日期 2008-3-12 网络版发布日期 2009-2-10 接受日期 2009-3-16

摘要

【目的】利用16S rDNA序列对来自中国8个省(区)的34株马铃薯疮痂病原菌和15株参比菌株进行系统发育分析。**【方法】**采用链霉菌通用引物对34株测试菌株的基因组进行16S rDNA序列扩增,测序后在GenBank中进行BLASTn比对,选取同源性较高的菌株构建系统发育树。**【结果】**34个测试菌株均为链霉菌属,其中Streptomyces scabies 12株、S. galilaeus 8株、S. bobili 6株、S. turgidiscabies 1株、S. acidiscabies 1株、S. diastatochromogenes 2株、S. setonii 1株、S. enissocaesilis 3株。其中S. galilaeus、S. bobili和S. enissocaesilis等种均为新发现的疮痂病原菌。对各菌株的分布分析发现,山东省的疮痂病原菌有4种,内蒙古自治区和陕西省有3种,四川省、河北省和山西省均有2种,黑龙江省为1种。**【结论】**中国马铃薯疮痂病原菌存在明显的遗传多样性,且分布较为复杂。

关键词 [马铃薯疮痂病](#) [链霉菌](#) [16S rDNA序列](#) [遗传多样性](#)

分类号

DOI:

通讯作者:
刘大群,赵伟全 ldq@hebau.edu.cn, zhaowquan@yahoo.com.cn
作者个人主页:

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF](#) (OKB)
- ▶ [\[HTML全文\]](#) (OKB)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“马铃薯疮痂病” 的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
· [张 萌, 赵伟全, 于秀梅, 杨文香, 张 汀, 刘大群](#)