

研究简报

松杨栅锈菌两菌群RAPD特异序列的标记转换

西北农林科技大学林学院

收稿日期 2007-11-29 修回日期 2008-1-30 网络版发布日期 2009-1-10 接受日期 2009-2-20

摘要

**【目的】**根据RAPD分析结果,对松杨栅锈菌西部和北方两大地理相关菌群RAPD扩增特异性DNA片段进行SCAR标记转换。**【方法】**经pGEM-T载体克隆和测序、Seqman整合后,用Primerselect分别设计了两地理菌群的简并引物对(西部菌群简并引物对PNW0118-382-F:GAATCGGCCACAAAACACTATC,PNW0118-382-R:GAATCGGCCATGACTTGAGC,北方菌群简并引物对PNW0118-400-F:GAATCGGCCACAAAACACTATC,PNW0118-400-R:GAATCGGCCATGACTTGAGCTGC)。**【结果】**经PCR条件优化成功获得两大地理菌群的SCAR标记。西部菌群SCAR标记为382 bp,北方菌群的SCAR标记为400 bp。**【结论】**两对引物可用于松杨栅锈菌地理菌群的检测。

关键词 [松杨栅锈菌](#) [DNA](#) [SCAR标记](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

曹支敏

作者个人主页:

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#)(425KB)

▶ [\[HTML全文\]](#)(0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“松杨栅锈菌”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [余仲东, 张 振, 曹轩峰, 曹支敏](#)