



王宝华

发布时间: 2015-06-16 浏览: 8206



王宝华, 植物病理学专业博士, 副教授。主要从事真菌遗传学和植物与病原菌相互作用的分子机制研究。在植物与病原物相互作用过程中, 病原物分泌的激发子能诱导植物产生一系列的防卫反应, 从而激发植物的抗病性。其中, 无毒基因编码的无毒蛋白是一类重要的激发子, 它能直接或间接地与植物抗病基因编码的蛋白相互作用, 导致植物的抗病反应。本课题组致力于无毒基因的克隆, 通过克隆与抗病基因相对应的无毒基因来探讨无毒基因与抗病基因相互作用机制。同时, 大量分析田间稻瘟病菌菌株的无毒基因的分布, 遗传与变异情况, 进一步研究病原菌与植物长期协同进化的机制。最终, 为抗性持久化的抗病育种提供重要的理论依据。

联系方式: wbaohua@fafu.edu.cn

近5年来发表的文章:

1. Chenxi Chen, Meilian Chen, Jinnan Hu, Wenjing Zhang, Zhenhui Zhong, Yulin Jia, Ludovic Allaux, Elisabeth Fournier, Dider Tharreau, Guo-Liang, Zonghua Wang, Wei-Chiang Shen, Guodong Lu, **Baohua Wang**^(*), Thomas K. Mitchell^(*), Sequence variation and recognitionspecificity of the avirulence gene AvrPiz-T in Magnaporthe oryzae fieldpopulations, Fungal Genomics & Biology, 2014, 4:113-120. (共同通讯作者)
2. Xiaoyan Gong, Oscar Hurtado, **Baohua Wang**, Mihwa Yi, Martha Giraldo, Congqing Wu, Barbara Valent, Micheal Goodin, Mark Farman, pPPL vectors for high-throughput protein localization in fungi: detecting cytoplasmic accumulation of putative effector proteins, Molecular Plant Microbe Interaction, 2014, 28(2): 107-121
3. Yan Zheng, Wenhui Zheng, Fuchen Lin, Ying Zhang, Yunping Yi, **Baohua Wang**, Guodong Lu, Zonghua, Wang Weiren Wu, AVR1-CO39 is a predominant locus governing the broad avirulence of Magnaporthe oryzae 2539 on cultivated (Oryza sativa L.), Molecular Plant Microbe Interaction, 2011, 24(1): 13-17.
4. 翟焕趁^(#), 王宝华^(#), 鲁国东, 朱立煌, 王宗华. 稻瘟病菌无毒基因Avr-pid2的分子标记及连锁图. 热带作物学报, 2011, 32(6): 1136-1143. (共同第一作者)
5. 翟焕趁, 连壁, 王杏杏, 王宝华, 鲁国东, 王宗华. 稻瘟病菌菌株FJ81278 中新发现的一个基因注释及其表达分析. 福建农林大学学报, 2011, 40(6): 570-575.

