

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 采用PCR-RFLP技术在不同水平上鉴定大豆根瘤菌

作者: 张学贤 M. 木论贝格 李德安 周俊初 李阜棣
华中农业大学微生物系, 武汉

摘要: 采用16S rRNA基因PCR扩增与限制性酶切片多态性分析(RFLP)技术对选自弗氏中华根瘤菌(*S.fredii*)、大豆慢生根瘤菌(*B.japonicum*)和埃氏慢生根瘤菌(*B.elkanii*)的19株代表菌进行了比较分析, 根据用3种限制性内切酶的RFLP分析结果, 可将供试菌株分为*S.fredii*, *B.japonicum*, *B.elkanii* II 和 *B.elkanii* II a等4种基因型。各类菌株之间没有交叉, 因此本研究采用的PCR-RFLP技术不失为一种快速鉴别大豆根瘤菌的新方法。采用本技术已将分离自中国的22株快生菌和19株慢生菌分别鉴定为*S.fredii*和*B.japonicum*。对供试参比菌株和野生型菌株进行的16S~23S基因间隔DNA(IGS)的PCR-RFLP分析结果表明: *S.fredii*和*B.japonicum*菌株的IGS长度不同, 所有供试*S.fredii*菌株的IGS为2.1 kb, 而供试*B.japonicum*菌株则为2.0 kb。依据RFLP的差异, 可将来自中国两个不同地区的*S.fredii*株区分为2个基因型, 而来自中国东北黑龙江地区的19株*B.japonicum*菌株则可分为11个基因型。对上述野生型菌株还进行了REP-PCR和ERIC-PCR分析并确定其具有菌株水平的特异性。

关键词: 大豆, 根瘤菌, 遗传多样性, 限制性酶切片长度多态性

这篇文章摘要已经被浏览 1191 次, 全文被下载 612 次。

[下载PDF文件 \(523964 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>