

【作者】	叶劲松，吴克，蔡敬民，俞志敏，陈天虎
【单位】	合肥学院生物与环境工程系，安徽合肥
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	30
【发表页码】	13287 - 13291
【关键字】	好氧堆肥；分离培养；现代生物化学与分子生物学；现状与展望
【摘要】	<p>在好氧堆肥微生物研究中，传统分离培养和显微技术以其简便易行的特点仍然在被继续使用，但是由于特定生境中大多数微生物处于“存活但不能培养”状态，所以对于好氧堆肥中的微生物进行研究时，就必须采用现代生物化学方法和分子生物学方法。回顾评述了醛类分析、磷脂脂肪酸分析和ATP分析这3类现代生物化学方法和16S rRNA和18S rRNA基因序列分析、16S~23S rDNA转录间隔区序列分析、DGGE变性梯度凝胶电泳和DNA微阵列这4类现代分子生物学方法，应用于堆肥过程中微生物研究的现状。最后指出不同的分子生物技术相结合，再辅以必要的传统方法，是将来堆肥微生物研究方法的发展方向 and 趋势。</p>
【附件】	 PDF下载 <input type="button" value="PDF阅读器下载"/>

关闭