

无栏目

土壤水分变动对冬小麦生长动态的影响

陈晓远 中国农业大学资源与环境学

陈晓远 中国农业大学资源与环境学院 北京100094

罗远培 中国农业科学院农业气象研究所 北京100081<sup>1</sup>

冬小麦<sup>2</sup>

土壤水分<sup>3</sup>

生长动态<sup>4</sup>

以冬小麦为材料,研究了土壤水分变动条件下作物的生长动态。结果表明,水分胁迫使作物的最大生长阶段开始时间提前,最大生长阶段延长,最大生长率和最大生长阶段内的平均生长率减小,因而使干物质积累速度降低,生长变慢。复水使最大生长阶段开始时间推后,最大生长阶段缩短,最大生长率和最大生长阶段内的平均生长率增大,因而使干物质积累速度提高,生长加快。中度水分亏缺后于拔节期复水的处理,可以使生长显著加快,干物质积累速度显著提高,生物量和产量接近一直保持充分供水的对照 2001<sup>5</sup>

34<sup>6</sup>

4<sup>7</sup>

63<sup>8</sup>

6<sup>9</sup>

68<sup>10</sup>

2001-34-4-63-68<sup>11</sup>

西北半干旱地区黄芪根瘤菌DNA同源性及16S rDNA全序列分析<sup>12</sup>

韦革宏 西北农林科技大学资源与环境学院 杨凌712100<sup>13</sup>

中国农业大学生物学院,北京100094

陈文新 中国农业大学生物学院 北京100094

朱铭莪 西北农林科技大学资源与环境学院 杨凌712100<sup>14</sup>

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 数值分类表明,分离自西北半干旱地区的9株黄芪根瘤菌构成一个独立的表观群。在此基础上,进行了DNA同源性及16S rDNA全序列分析。9株菌的G+C mol%在59.1~60.3之间;群内DNA同源率为81.5%~91.0%,大于70%;中心菌株SH290B与各已知种模式菌株DNA同源率在10.5%~63.0%,小于70%。SH290B的16S rDNA全序列与参比菌株的序列进行比较,得到系统发育树状图。其处在土壤杆菌-山羊

关键词 [黄芪根瘤菌](#) [DNA同源性](#) [16SrDNA全序列](#) [系统发育](#)

分类号 [62](#)

DOI:

通讯作者:

作者个人主页:

陈晓远 中国农业大学资源与环境学

### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(255KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“黄芪根瘤菌”的相关文章](#)

▶ [本文作者相关文章](#)

[陈晓远 中国农业大学资源与环境学](#)