

园艺

中国主栽银耳配对香灰菌的系统发育和遗传多样性

温文婷, 贾定洪, 郭勇, 孙群, 杨志荣, 彭卫红

(四川大学生命科学学院)

收稿日期 2009-5-5 修回日期 2009-7-10 网络版发布日期 2010-2-10 接受日期 2010-2-3

摘要

【目的】了解中国主栽银耳配对香灰菌的分类地位及遗传多样性,为香灰菌资源利用和育种提供分子生物学依据。**【方法】**采用18S-28S rDNA 间隔区(ITS4/ITS5)的PCR扩增和内部简单重复序列多态性(ISSR)分子标记,对中国主栽银耳配对香灰菌的遗传多样性进行分析。**【结果】**16株供试菌株ITS序列分析表明,供试菌株与 *Annulohyphoxylon stygium* 关系最为接近,同源性高达99%。从70个ISSR引物中筛选出了11个多态性好的引物,共获得62条ISSR标记。以相关系数0.7为阈值,将16株菌划为5个遗传组,菌株间遗传差异较大,遗传多样性较高。**【结论】**中国主栽银耳地区的香灰菌遗传资源较为丰富,这为利用香灰菌资源选育新品种提供了可能。

关键词 [银耳](#) [伴生菌](#) [遗传多样性](#) [聚类分析](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

彭卫红 pwh424@163.com

作者个人主页:

温文婷; 贾定洪; 郭勇; 孙群; 杨志荣; 彭卫红

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#)(367KB)

▶ [\[HTML全文\]](#)(0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“银耳”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [温文婷, 贾定洪, 郭勇, 孙群, 杨志荣, 彭卫红](#)