

农业生物技术科学

香菇反转录转座子间扩增多态性 (IRAP) PCR反应体系的研究

肖扬

华中农业大学

收稿日期 2008-12-8 修回日期 2008-12-29 网络版发布日期 2009-4-5 接受日期 2009-4-3

摘要 摘要: 为了开发香菇反转录转座子间扩增多态性标记(IRAP), 建立稳定的IRAP-PCR反应体系, 本文对影响IRAP-PCR的主要因素进行了优化筛选。确定了最佳反应体系为: 20 μ l反应体系中, 包含30 ng模板DNA, 0.30 μ mol/L引物, 0.3mmol/L dNTPs, 2.0 mmol/L Mg²⁺及0.75UTaq酶。梯度PCR试验筛选得到的最佳退火温度为56.1 $^{\circ}$ C。采用上述最佳反应体系和引物LTR1L-MarY1L对香菇18个菌株进行了IRAP-PCR扩增, 验证了该体系的可靠性。

关键词 [香菇](#) [反转录转座子](#) [IRAP-PCR](#) [体系优化](#)

分类号

DOI:

对应的英文版文章: [2008-1389](#)

通讯作者:

肖扬 xiaoyang@mail.hzau.edu.cn

作者个人主页: 肖扬

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#)(2786KB)

▶ [\[HTML全文\]](#)(0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“香菇”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [肖扬](#)