

耕作栽培·生理生化·农业生态

云南复伞房蔷薇天然居群表型多样性的居群生物学分析 \*

邱显钦, 张颢, 蹇洪英, 王其刚, 晏慧君, 李树发, 张婷, 唐开学\*\*

云南省农业科学院 花卉研究所, 云南省花卉育种重点实验室,  
云南花卉技术工程研究中心, 云南 昆明 650205

收稿日期 2009-7-19 修回日期 2009-7-24 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 应用居群生物学的原理和方法, 对分布于云南的6个复伞房蔷薇 (*Rosa brunonii* Lindl.) 天然居群的15个表型性状进行多样性分析。结果表明, 复伞房蔷薇表型性状在群体间和群体内均存在丰富的变异, 15个性状群体间的F值为2.29~7.71, 除花瓣宽不显著外, 其余14个表型性状均达到极显著或显著水平; 15个性状群体内的F值为1.21~11.04, 除花萼长和宽不显著外, 其余性状均达到极显著水平。15个性状群体平均表型分化系数为33.14%, 群体内变异(31.27%)大于群体间变异(13.98%), 说明群体内变异是复伞房蔷薇的主要变异来源。复伞房蔷薇刺数量与纬度呈显著正相关, 中部和顶端的小叶长与宽与纬度呈显著负相关, 叶柄长与海拔呈显著负相关, 其它性状与地理因子的相关性均不显著。利用群体间欧氏距离进行UPGMA聚类分析的结果表明, 6个天然群体可以划分为两类。依据研究结果, 复伞房蔷薇的遗传改良策略应当是: 适当地减少抽样居群数, 增加居群内的家系数, 即应重视群体内优良单株的选择。种质资源的保护策略应当是: 尽量保护一个居群的完整性。

**关键词** [蔷薇属; 复伞房蔷薇; 天然居群; 表型多样性](#)

**分类号** [S 685.12](#)

**DOI:**

通讯作者:

[kxtang@hotmail.com](mailto:kxtang@hotmail.com)

作者个人主页: 邱显钦; 张颢; 蹇洪英; 王其刚; 晏慧君; 李树发; 张婷; 唐开学\*\*

## 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(793KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“蔷薇属; 复伞房蔷薇; 天然居群; 表型多样性”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [邱显钦](#)

· [张颢](#)

· [蹇洪英](#)

· [王其刚](#)

· [晏慧君](#)

· [李树发](#)

· [张婷](#)

· [唐开学](#)