

【作者】	李恩香, 贾文杰, 蒋满英, 赖士杰, 杨莉萍, 杨柏云
【单位】	南昌大学生命科学学院, 江西南昌
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	34
【发表页码】	14907 - 14908, 14911
【关键字】	龙牙百合; DNA 提取; ISSR-PCR
【摘要】	[目的] 研究龙牙百合总DNA 的提取方法, 建立优化的ISSR-PCR 反应体系和程序, 为种质资源研究奠定基础。[方法] 利用改良的CTAB 法提取龙牙百合基因组DNA, 并对影响ISSR 扩增反应的各因素进行优化。[结果] 获得了高质量的龙牙百合基因组DNA; 优化的龙牙百合ISSR-PCR 反应体系为, 25 μ l 体系中含60 ng 模板DNA, 0.4 μ mol/L ISSR 引物, 2.0 mmol/L Mg^{2+} , 1.5 U Taq 酶, 0.2 mmol/L dNTPs; 反应程序为, 94 $^{\circ}C$ 预变性5 min; 然后进行40 个循环: 94 $^{\circ}C$ 变性50 s, 52 $^{\circ}C$ 复性45 s, 72 $^{\circ}C$ 延伸75 s; 循环结束后72 $^{\circ}C$ 延伸8 min。[结论] 建立了适合于龙牙百合的ISSR-PCR 反应体系及程序, 为种质资源研究奠定了基础。
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭