

研究简报

云南蔷薇属部分种质资源的SSR遗传多样性研究

唐开学^{1,2}, 邱显钦², 张 颢², 李树发², 王其刚², 蹇洪英², 鄢 波², 黄兴奇^{1,3*}

(¹云南大学生命科学学院, 昆明650091; ²云南省农业科学院花卉研究所, 昆明 650205; ³云南省农业生物技术重点实验室, 昆明650223)

收稿日期 2008-4-2 修回日期 2008-7-16 网络版发布日期 2008-8-26 接受日期

摘要

利用简单重复序列SSR (Simple Sequence Repeat) 标记技术对42份蔷薇属 (*Rosa* L.) 种质资源 (包括13份野生种、变种、变型及29份栽培品种) 的遗传多样性进行了研究。用筛选出的18对SSR引物对42份材料DNA进行PCR扩增, 在18个位点共检测到148个等位基因, 每一位点的等位基因变幅为6~14个, 平均8.2个。材料间遗传相似系数变化范围为0.282~0.892, 表明在分子水平上云南省蔷薇属植物具有丰富的遗传多样性。本研究发现, 在相似系数为0.456时, 基于SSR标记的聚类分析可以将 13个蔷薇野生种明显分为5个组, 这与植物形态学分类结果大体一致。在遗传相似系数为0.43水平上, 聚类分析将42份供试材料分为5大组群; 同时初步探讨了野生种之间以及野生种与栽培品种之间的遗传亲缘关系。

关键词

[蔷薇属](#) [遗传多样性](#) [亲缘关系](#) [SSR](#)

分类号 [S 685.12](#)

DOI:

对应的英文版文章: [8-21](#)

通讯作者:

黄兴奇 xingqih@public.km.yn.cn

作者个人主页: 唐开学^{1,2}; 邱显钦²; 张 颢²; 李树发²; 王其刚²; 蹇洪英²; 鄢 波²; 黄兴奇^{1,3*}

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (572KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“](#)

[蔷薇属” 的相关文章](#)

▶ [本文作者相关文章](#)

· [唐开学](#)

· [邱显钦](#)

· [张 颢](#)

· [李树发](#)

· [王其刚](#)

· [蹇洪英](#)

· [鄢 波](#)

· [黄兴奇](#)